

ONCOgenics™



Haciendo realidad la oncología personalizada de precisión

ONCOgenics *Tumor*™

ONCOgenics *Germline*™

ONCOgenics *Complete*™

ANALISIS

Genes y reordenamientos accionables asociados a terapias aprobadas para el tratamiento del cáncer.

Genes implicados en cáncer hereditario.

Genes y reordenamientos accionables asociados a terapias aprobadas para el tratamiento del cáncer.

Genes implicados en cáncer hereditario.

VENTAJAS

Elección del tratamiento más adecuado para el perfil molecular de cada tumor.

Selección de pacientes con mayores probabilidades de responder a un tratamiento determinado.

Identificación de predisposiciones genéticas heredables al desarrollo del cáncer.

Optimización de recursos en los programas de prevención y diagnóstico precoz.

Elección del tratamiento más adecuado para el perfil molecular de cada tumor.

Selección de pacientes con mayores probabilidades de responder a un tratamiento determinado.

Identificación de predisposiciones genéticas heredables al desarrollo del cáncer.

Optimización de recursos en los programas de prevención y diagnóstico precoz.

PLAZO ENTREGA

20 días

30 días

30 días

Indicado en pacientes con cáncer estadio IV susceptibles de tratamiento sistémico, permite identificar los pacientes candidatos a beneficiarse del empleo de fármacos dirigidos frente a dianas moleculares aprobados para su uso clínico.

ONCOgenics *Tumor*TM permite, de manera opcional y sin coste adicional, el procesamiento paralelo de muestra germinal con el fin de distinguir inequívocamente las mutaciones tumorales de las de la línea germinal.

ONCOgenicsTM *Tumor*

Servicio de interpretación clínica del genoma tumoral que analiza la secuencia de 97 genes y reorganizaciones en 17 genes asociados a terapias aprobadas para el tratamiento del cáncer.

Partiendo de tejido tumoral incluido en parafina o congelado en fresco, se genera un informe que incluye las alteraciones identificadas, su descripción y las implicaciones terapéuticas relacionadas, de manera que el oncólogo cuenta con la información necesaria para seleccionar el tratamiento más adecuado para el paciente. Opcionalmente y sin coste adicional, es posible analizar una muestra de ADN germinal (obtenido de sangre o saliva del paciente) para discriminar de manera inequívoca las variantes somáticas (o adquiridas) de las germinales (o heredadas).

	ONCOgenics <i>Tumor</i> TM		
MUESTRAS DISPONIBLES	TUMORAL	TUMORAL + GERMINAL	TUMORAL + GERMINAL
CONSENTIMIENTO INFORMADO GERMINAL	No disponible	No disponible	Disponible
FILTRADOS DE LAS VARIANTES ESPECÍFICAS DEL TUMOR	Frecuencia alélica poblacional	Sustracción germinal (mejora el rendimiento bioinformático; se incluyen las variantes germinales terapéuticamente relevantes, sin especificar su origen germinal)	Sustracción germinal (mejora el rendimiento bioinformático; se incluyen las variantes germinales terapéuticamente relevantes)
TIPO DE INFORME	Interpretación clínica de las variantes tumorales	Interpretación clínica de las variantes tumorales	Interpretación clínica de las variantes tumorales, especificando el origen somático o germinal de las mismas

BIBLIOGRAFÍA

Cabanillas, R., Diñeiro, M., Castillo, D., Pruneda, P.C., Penas, C., Cifuentes, G.A., de Vicente, A., Durán, N.S., Álvarez, R., Ordóñez, G.R. y Cadiñanos, J. (2017) A novel

ONCOgenics *Germline*[™] está indicado en pacientes y familias con sospecha de que los tumores diagnosticados en su genealogía se hayan originado en el contexto de una predisposición heredable al desarrollo de cáncer.

ONCOgenics[™] *Germline*

Servicio de interpretación clínica del genoma germinal que analiza un panel de 72 genes implicados en cáncer familiar y de 76 genes asociados con síndromes en los que el cáncer es una manifestación secundaria.

El informe de ONCOgenics *Germline*[™] recoge una interpretación detallada de las variantes patogénicas, las probablemente patogénicas y las de significado clínico incierto, realizada en base a estimaciones bioinformáticas y a un análisis pormenorizado de la literatura científico-médica.

ONCOgenics[™] *Complete*

Servicio de interpretación clínica del genoma tumoral y germinal de manera paralela. Se analizan tanto los 97 genes y reorganizaciones en 17 genes asociados a terapias aprobadas para el tratamiento del cáncer, como los 148 genes implicados en cáncer hereditario.

Se generan dos informes:

- 1) Informe ONCOgenics *Tumor*[™], que incluye las alteraciones identificadas en el tumor, su descripción y las implicaciones terapéuticas relacionadas, especificando su naturaleza somática o germinal
- 2) Informe ONCOgenics *Germline*[™], que recoge las variantes patogénicas, las probablemente patogénicas y las de significado clínico incierto presentes en la línea germinal, con su correspondiente interpretación clínica.



METODOLOGÍA

01

Procesamiento de las muestras y extracción de ADN tumoral y/o germinal.

02

Captura de las regiones genómicas de interés y secuenciación NGS.

03

Análisis específico de los genes seleccionados en el ADN, proporcionando las variantes detectadas. Este análisis es realizado por herramientas bioinformáticas exclusivas y validadas por numerosas publicaciones científicas de impacto internacional.

04

Generación de un detallado informe de las variantes identificadas (SNVs, indels, reorganizaciones y cambios en el número de copias) que incluye la predicción de sus consecuencias funcionales y clínicas.

TIPO DE MUESTRA

Muestra tumoral

- Bloque de parafina
- Secciones de tejido parafinado
- Tejido tumoral congelado
- Células en suspensión
- ADN tumoral

Muestra germinal

- Sangre
- Saliva
- ADN germinal

En caso de no disponer de ninguna de estas muestras, consultar sobre las opciones disponibles.

Sensibilidad* >99% | Especificidad* >99%

*Para SNVs e InDels.



C/ Colegio Santo Domingo de Guzmán s/n
La Corredoria E33011 Oviedo · Asturias · SPAIN
+34 985 088 180
www.dreamgenics.com

Avda. Richard Grandío s/n
Latores E33193 Oviedo · Asturias · SPAIN
+34 985 250 300 - Ext. 700
www.imoma.es

