

# DG Preventive Essential

## ¿Qué es DG Preventive Essential?

DG Preventive Essential es un test que analiza los **81 genes accionables cuyo estudio está recomendado por la ACMG** y que están relacionados con **37 enfermedades** de elevada incidencia, la mayoría de ellas enfermedades cardiovasculares y cáncer.

## Genética y enfermedad

Las enfermedades cardiovasculares y el cáncer son las dos primeras causas de muerte en todo el mundo. Se sabe que hasta el **15% de los cánceres** tiene un componente genético hereditario y hasta el **25% de las muertes súbitas cardíacas** son debidas a anomalías genéticas en genes responsables de la estructura del músculo cardíaco o del ritmo del corazón.

## ¿A quién está dirigido?

El test DG Preventive Essential está pensado para:

- » Personas con **historial familiar de enfermedad cardiovascular hereditaria**.
- » Personas con **historial familiar de cáncer hereditario**.
- » Personas sanas que estén preocupadas por el cuidado de su salud y la de sus familiares.

## ¿Por qué es importante realizarlo?

Conocer la predisposición a algunas enfermedades de origen genético permite establecer estrategias preventivas o de detección en estadios muy tempranos o presintomáticos permitiendo un tratamiento más eficaz.

Todo ello aporta las siguiente ventajas:

- » **Reduce la incertidumbre y la ansiedad** sobre el riesgo de padecer una enfermedad hereditaria accionable.
- » Proporciona **información muy valiosa para toda la familia**, incluso para los miembros que no hayan sido analizados.
- » **Permite realizar un seguimiento adecuado** para cada miembro de la familia en función de los resultados obtenidos.

## Características

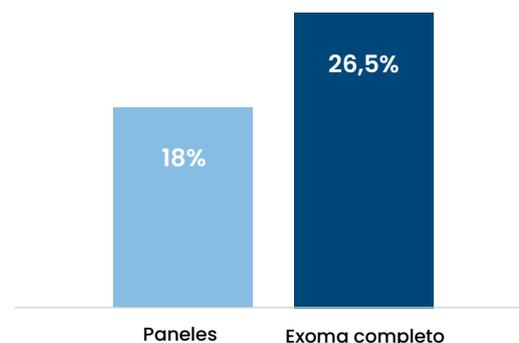
- » Librería Agilent SureSelect Human All Exon V8
- » **Tecnología Illumina**<sup>®</sup> plataforma NovaSeq 6000
- » Secuenciación de todas las regiones genómicas codificantes de **más de 20.000 genes**
- » **Cobertura media de 100-150x**
- » Análisis bioinformático utilizando **nuestro software Genome One**
- » Clasificación de variantes según **criterios ACMG**
- » Análisis de **SNVs, Indels y CNVs**
- » Muestras: Sangre EDTA, saliva y exudado bucal
- » Plazo de entrega: 25 días laborables

## Ventajas del exoma completo en un estudio genético preventivo

Frente a los paneles comerciales, la secuenciación del exoma completo ofrece las siguientes ventajas:

- » **Posibilidad de ampliación del estudio** a otros genes de interés para el especialista.
- » Reanálisis de nuevos genes candidatos que la comunidad científica vaya descubriendo **sin necesidad de volver a secuenciar**.
- » **Interpretación diagnóstica de todo el exoma** en caso necesario en un futuro.

### Comparativa de rendimiento diagnóstico



Fuente: Circ Cardiovasc Genet. 2017.

# Listado de genes agrupados por patología

Patología	Genes asociados		
<b>Cáncer</b>	Síndrome de Lynch	<i>MLH1, MSH2, MSH6, PMS2</i>	
	Poliposis adenomatosa familiar	<i>APC</i>	
	Síndrome de poliposis juvenil	<i>BMPR1A, SMAD4</i>	
	Poliposis asociada a MUTYH	<i>MUTYH</i>	
	Cáncer de mama y ovario hereditario	<i>BRCA1, BRCA2, PALB2</i>	
	Retinoblastoma	<i>RB1</i>	
	Neoplasia endocrina múltiple 1	<i>MEN1</i>	
	Cáncer familiar tiroideo familiar/Neoplasia endocrina múltiple 2	<i>RET</i>	
	Feocromocitoma-paranganglioma hereditario	<i>MAX, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD, TMEM127</i>	
	Síndrome de hamartoma PTEN	<i>PTEN</i>	
	Síndrome de Peutz-Jeghers	<i>STK11</i>	
	Síndrome de von Hippel-Lindau	<i>VHL</i>	
	Síndrome Li-Fraumeni	<i>TP53</i>	
	Tumor de Wilms	<i>WT1</i>	
	Complejo esclerosis tuberosa	<i>TSC1, TSC2</i>	
	Neurofibromatosis Tipo 2	<i>NF2</i>	
	<b>Cardiovascular</b>	Aortopatías	<i>ACTA2, FBN1, MYH11, SMAD3, TGFB1, TGFB2</i>
		Síndrome de Ehlers-Danlos tipo vascular	<i>COL3A1</i>
		Síndrome de Brugada	<i>SCN5A</i>
Síndrome de QT largo tipos 1 y 2		<i>KCNH2, KCNQ1</i>	
Síndrome de QT largo tipos 14-16		<i>CALM1, CALM2, CALM3</i>	
Taquicardia ventricular polimórfica catecolaminérgica		<i>CASQ2, RYR2, TRDN</i>	
Miocardiopatía arritmogénica		<i>DSC2, DSG2, DSP, PKP2, TMEM43</i>	
Miocardiopatía dilatada		<i>BAG3, DES, FLNC, LAMA4, RBM20, TTN, TNNC1, TNNT2</i>	
Miocardiopatía hipertrófica		<i>ACTC1, MYBPC3, MYH7, MYL2, MYL3, PRKAG2, TPM1, TNNI3</i>	
Hipercolesterolemia familiar		<i>APOB, LDLR, PCSK9</i>	
<b>Errores innatos del metabolismo</b>	Deficiencia de biotinidasa	<i>BTD</i>	
	Enfermedad de Fabry	<i>GLA</i>	
	Deficiencia de ornitina transcarbamilasa	<i>OTC</i>	
	Enfermedad de almacenamiento del glicógeno II (Enfermedad de Pompe)	<i>GAA</i>	
	<b>Otros</b>	Hemocromatosis hereditaria	<i>HFE</i>
Telangiectasia hemorrágica hereditaria		<i>ACVRL1, ENG</i>	
Diabetes del adulto de inicio juvenil		<i>HNF1A</i>	
Amaurosis congénita de Leber/Retinitis pigmentosa 20		<i>RPE65</i>	
Enfermedad de Wilson		<i>ATP7B</i>	
Hipertermia maligna		<i>CACNA1S, RYR1</i>	
Amiloidosis hereditaria mediada por transtiretina		<i>TTR</i>	

\*En el diseño del test DG Preventive Essential se han incluido los 81 genes accionables cuyo estudio está **recomendado por la ACMG** en su última actualización de Junio de 2023 (v3.2).

## Referencias

- Seidemann SB, et al. Application of whole exome sequencing in the clinical diagnosis and management of inherited cardiovascular diseases in adults. *Circ Cardiovasc Genet.* 2017;10(1):e001573.
- Richards, S, Aziz, N, Bale, S. et al. Standards and guidelines for the interpretation of sequence variants: a joint consensus recommendation of the American College of Medical Genetics and Genomics and the Association for Molecular Pathology. *Genet Med* 17, 405–423 (2015).
- Miller DT, et al. ACMG SF v3.2 list for reporting of secondary findings in clinical exome and genome sequencing: A policy statement of the American College of Medical Genetics and Genomics (ACMG). *Genet Med.* 2023 Aug;25(8):100866.
- Wilde AAM, et al. European Heart Rhythm Association (EHRA)/Heart Rhythm Society (HRS)/Asia Pacific Heart Rhythm Society (APHRS)/Latin American Heart Rhythm Society (LAHRS) Expert Consensus Statement on the State of Genetic Testing for Cardiac Diseases. *Heart Rhythm.* 2022 Jul;19(7).
- van Dijk EI, Auger H, Jaszczyszyn Y, Thermes C. Ten years of next-generation sequencing technology. *Trends Genet.* 2014;30:418–426.
- Nielsen FC, et al. Hereditary breast and ovarian cancer: new genes in confined pathways. *Nat Rev Cancer.* 2016 Sep;16(9):599–612.

# ¿Cómo son los informes DG Preventive?

Todos los informes DG Preventive están redactados de manera sencilla para que sean **fácilmente entendibles por el paciente**. Su contenido se divide en cuatro bloques.

## Bloque 1: Resultado

Contiene toda la información referente a los **resultados obtenidos** tras el análisis de la muestra del paciente.

**Premium DG Preventive**

Nombre y apellidos: Lucía García Pérez | Muestra: Sangre EDTA | Fecha nacimiento: 20/02/1980 | Fecha recepción: 04/04/2024 | Sexo: Mujer | Fecha informe: 02/02/2024 | ID interno: G220XX | Cliente: Paciente | Empresa: Company S.L.

Gen	Variantes*	Clasificación	Fenotipo asociado
BRCA1	c.2151G>C Heterocigota (55%)	Patológica	Cáncer de Mama y Ovario Hereditario

**1. ANTECEDENTES**  
No relevantes.

**2. INTERPRETACIÓN**  
La presencia de una variante Patológica en el gen BRCA2 se asocia a un mayor riesgo a desarrollar Cáncer de Mama y Ovario. El impacto de la variante identificada deberá ser valorado por un especialista de acuerdo a su historial clínico y familiar.

**3. FENOTIPO ASOCIADO**  
El Cáncer de Mama y Ovario Hereditario es un tipo de tumor debido a mutaciones genéticas presentes en la línea germinal que han sido heredadas de los progenitores y constituyen el 7% de los casos de cáncer de mama y ovario en el 70% de los cánceres de ovario.

BRCA1 y BRCA2 son los genes que se asocian con una mayor proporción de casos de cáncer de mama y ovario hereditario y el riesgo de desarrollar la enfermedad varía según la mutación que se encuentre en BRCA1 o BRCA2. El riesgo de desarrollar cáncer de mama en portadoras de mutación en BRCA2 supone entre un 55%-72% a los 70 años y de un 43%-55% para mujeres portadoras de una mutación en BRCA1. Para los hombres, la probabilidad de desarrollar cáncer de mama en portadoras de mutación en BRCA2 es del 8% y del 1% en las portadoras de mutación en BRCA1.

La identificación de una variante en BRCA1 o BRCA2 permite establecer protocolos de vigilancia y preventivos en el paciente, así como la identificación de otros familiares portadores.

**4. RECOMENDACIONES**  
En caso de detectar alguna variante Patológica o Probablemente Patológica se recomienda consultar con el médico especialista para una correcta interpretación de los resultados.

**Dreamgenics**

## Bloque 2: Interpretación

Se explica de manera detallada cuáles son los **posibles resultados** y la **implicación** de cada uno de ellos. También se aporta información de interés para los familiares.

Nombre: Lucía García Pérez | Sexo: Mujer | ID Interno: G220XX | Fecha Informe: 02/02/2024

INTERPRETACIÓN DE RESULTADOS	PATOLÓGICA	PROBABLEMENTE PATOLÓGICA	NEGATIVA
Una variante <b>Patológica</b> es un cambio en el ADN asociado a una enfermedad genética o que presenta un aumento del riesgo o desarrollo de una enfermedad genética.	Una variante <b>Probablemente Patológica</b> es un cambio en el ADN que presenta una probabilidad de más del 50% de ser causa de un aumento del riesgo o desarrollo de una enfermedad genética.	Un resultado <b>Negativo</b> indica que no se ha identificado ninguna variante Patológica o Probablemente Patológica en el conjunto de genes analizados.	

Una variante **Patológica** o **Probablemente Patológica** indica la presencia de la enfermedad asociada o un mayor predisposición al desarrollo de la misma. En algunos casos, la presencia de este tipo de variantes no determina con total certeza la aparición de la enfermedad y el riesgo asociado debe evaluarse para cada variante identificada de manera específica. Para una correcta interpretación de estos resultados y determinación de su implicación clínica es necesario conocer el historial clínico y familiar del paciente, así como la información aportada por otros pruebas médicas y/o de laboratorio. Deberá ser un genetista, experto en una consulta de asesoramiento genético, quien deberá informarte de cuál es la implicación que la variante identificada puede tener en su salud y cuáles son las medidas adecuadas a tomar.

Un resultado **Negativo** en este estudio indica que no se ha identificado ninguna variante Patológica o Probablemente Patológica en el conjunto de genes analizados. En este caso, el riesgo de ser afectado o desarrollar alguna de las enfermedades estudiadas es bajo, aunque no es posible descartar su aparición con total certeza. Igualmente, un resultado negativo no descarta la presencia de otras enfermedades genéticas o no genéticas no incluidas en este estudio.

El equipo de genetistas de Dreamgenics puede ayudar a interpretar su informe genético preventivo y a tomar la mejor decisión para usted en base a los resultados obtenidos.

**INFORMACIÓN PARA FAMILIARES**

La identificación de una variante **Patológica** o **Probablemente Patológica** relacionada con una enfermedad genética puede implicar la presencia de dicha variante en los familiares. Por ello es muy recomendable realizar estudios genéticos específicos en los familiares en riesgo para identificar aquellos que sean portadores de la misma alteración. Recomendamos que comparta los resultados obtenidos en este estudio con sus familiares y su médico para que este le ayude a determinar su propio riesgo personal y familiar.

Del mismo modo, un resultado **Negativo** en este estudio no descarta la posibilidad de que sus familiares puedan presentar una variante Patológica o Probablemente Patológica en el conjunto de genes analizados en este estudio u otros, principalmente cuando existan antecedentes familiares de una enfermedad de origen genético. En todos los casos, se recomienda que un genetista debidamente cualificado realice una consulta de asesoramiento genético clínico de la necesidad de realizar estudios genéticos en los familiares.

El equipo de genetistas de Dreamgenics puede ayudar a interpretar su informe genético preventivo y a tomar la mejor decisión para usted y sus familiares.

**Dreamgenics**

## Bloque 3: Genes y Enfermedades

Se indican los **genes analizados** y las **enfermedades estudiadas**. Así mismo, se describen las características del estudio realizado.

Nombre: Lucía García Pérez | Sexo: Mujer | ID Interno: G220XX | Fecha Informe: 02/02/2024

**GENES ANALIZADOS**

Los 145 genes analizados en DG Preventive Premium han sido seleccionados en base a criterios clínicos y científicos a partir de las recomendaciones del American College of Medical Genetics and Genomics (ACMG):

- 124 genes asociados a enfermedades cardiovasculares hereditarias
- 88 genes asociados a cánceres hereditarios

**124 genes asociados a enfermedades cardiovasculares hereditarias**

ABCC9	ADAMTS1	ADAMTS2	ADAMTS3	ADAMTS4	ADAMTS5	ADAMTS6	ADAMTS7	ADAMTS8	ADAMTS9	ADAMTS10	ADAMTS11	ADAMTS12	ADAMTS13	ADAMTS14	ADAMTS15	ADAMTS16	ADAMTS17	ADAMTS18	ADAMTS19	ADAMTS20	ADAMTS21	ADAMTS22	ADAMTS23	ADAMTS24	ADAMTS25	ADAMTS26	ADAMTS27	ADAMTS28	ADAMTS29	ADAMTS30	ADAMTS31	ADAMTS32	ADAMTS33	ADAMTS34	ADAMTS35	ADAMTS36	ADAMTS37	ADAMTS38	ADAMTS39	ADAMTS40	ADAMTS41	ADAMTS42	ADAMTS43	ADAMTS44	ADAMTS45	ADAMTS46	ADAMTS47	ADAMTS48	ADAMTS49	ADAMTS50	ADAMTS51	ADAMTS52	ADAMTS53	ADAMTS54	ADAMTS55	ADAMTS56	ADAMTS57	ADAMTS58	ADAMTS59	ADAMTS60	ADAMTS61	ADAMTS62	ADAMTS63	ADAMTS64	ADAMTS65	ADAMTS66	ADAMTS67	ADAMTS68	ADAMTS69	ADAMTS70	ADAMTS71	ADAMTS72	ADAMTS73	ADAMTS74	ADAMTS75	ADAMTS76	ADAMTS77	ADAMTS78	ADAMTS79	ADAMTS80	ADAMTS81	ADAMTS82	ADAMTS83	ADAMTS84	ADAMTS85	ADAMTS86	ADAMTS87	ADAMTS88	ADAMTS89	ADAMTS90	ADAMTS91	ADAMTS92	ADAMTS93	ADAMTS94	ADAMTS95	ADAMTS96	ADAMTS97	ADAMTS98	ADAMTS99	ADAMTS100	ADAMTS101	ADAMTS102	ADAMTS103	ADAMTS104	ADAMTS105	ADAMTS106	ADAMTS107	ADAMTS108	ADAMTS109	ADAMTS110	ADAMTS111	ADAMTS112	ADAMTS113	ADAMTS114	ADAMTS115	ADAMTS116	ADAMTS117	ADAMTS118	ADAMTS119	ADAMTS120	ADAMTS121	ADAMTS122	ADAMTS123	ADAMTS124	ADAMTS125	ADAMTS126	ADAMTS127	ADAMTS128	ADAMTS129	ADAMTS130	ADAMTS131	ADAMTS132	ADAMTS133	ADAMTS134	ADAMTS135	ADAMTS136	ADAMTS137	ADAMTS138	ADAMTS139	ADAMTS140	ADAMTS141	ADAMTS142	ADAMTS143	ADAMTS144	ADAMTS145	ADAMTS146	ADAMTS147	ADAMTS148	ADAMTS149	ADAMTS150	ADAMTS151	ADAMTS152	ADAMTS153	ADAMTS154	ADAMTS155	ADAMTS156	ADAMTS157	ADAMTS158	ADAMTS159	ADAMTS160	ADAMTS161	ADAMTS162	ADAMTS163	ADAMTS164	ADAMTS165	ADAMTS166	ADAMTS167	ADAMTS168	ADAMTS169	ADAMTS170	ADAMTS171	ADAMTS172	ADAMTS173	ADAMTS174	ADAMTS175	ADAMTS176	ADAMTS177	ADAMTS178	ADAMTS179	ADAMTS180	ADAMTS181	ADAMTS182	ADAMTS183	ADAMTS184	ADAMTS185	ADAMTS186	ADAMTS187	ADAMTS188	ADAMTS189	ADAMTS190	ADAMTS191	ADAMTS192	ADAMTS193	ADAMTS194	ADAMTS195	ADAMTS196	ADAMTS197	ADAMTS198	ADAMTS199	ADAMTS200	ADAMTS201	ADAMTS202	ADAMTS203	ADAMTS204	ADAMTS205	ADAMTS206	ADAMTS207	ADAMTS208	ADAMTS209	ADAMTS210	ADAMTS211	ADAMTS212	ADAMTS213	ADAMTS214	ADAMTS215	ADAMTS216	ADAMTS217	ADAMTS218	ADAMTS219	ADAMTS220	ADAMTS221	ADAMTS222	ADAMTS223	ADAMTS224	ADAMTS225	ADAMTS226	ADAMTS227	ADAMTS228	ADAMTS229	ADAMTS230	ADAMTS231	ADAMTS232	ADAMTS233	ADAMTS234	ADAMTS235	ADAMTS236	ADAMTS237	ADAMTS238	ADAMTS239	ADAMTS240	ADAMTS241	ADAMTS242	ADAMTS243	ADAMTS244	ADAMTS245	ADAMTS246	ADAMTS247	ADAMTS248	ADAMTS249	ADAMTS250	ADAMTS251	ADAMTS252	ADAMTS253	ADAMTS254	ADAMTS255	ADAMTS256	ADAMTS257	ADAMTS258	ADAMTS259	ADAMTS260	ADAMTS261	ADAMTS262	ADAMTS263	ADAMTS264	ADAMTS265	ADAMTS266	ADAMTS267	ADAMTS268	ADAMTS269	ADAMTS270	ADAMTS271	ADAMTS272	ADAMTS273	ADAMTS274	ADAMTS275	ADAMTS276	ADAMTS277	ADAMTS278	ADAMTS279	ADAMTS280	ADAMTS281	ADAMTS282	ADAMTS283	ADAMTS284	ADAMTS285	ADAMTS286	ADAMTS287	ADAMTS288	ADAMTS289	ADAMTS290	ADAMTS291	ADAMTS292	ADAMTS293	ADAMTS294	ADAMTS295	ADAMTS296	ADAMTS297	ADAMTS298	ADAMTS299	ADAMTS300	ADAMTS301	ADAMTS302	ADAMTS303	ADAMTS304	ADAMTS305	ADAMTS306	ADAMTS307	ADAMTS308	ADAMTS309	ADAMTS310	ADAMTS311	ADAMTS312	ADAMTS313	ADAMTS314	ADAMTS315	ADAMTS316	ADAMTS317	ADAMTS318	ADAMTS319	ADAMTS320	ADAMTS321	ADAMTS322	ADAMTS323	ADAMTS324	ADAMTS325	ADAMTS326	ADAMTS327	ADAMTS328	ADAMTS329	ADAMTS330	ADAMTS331	ADAMTS332	ADAMTS333	ADAMTS334	ADAMTS335	ADAMTS336	ADAMTS337	ADAMTS338	ADAMTS339	ADAMTS340	ADAMTS341	ADAMTS342	ADAMTS343	ADAMTS344	ADAMTS345	ADAMTS346	ADAMTS347	ADAMTS348	ADAMTS349	ADAMTS350	ADAMTS351	ADAMTS352	ADAMTS353	ADAMTS354	ADAMTS355	ADAMTS356	ADAMTS357	ADAMTS358	ADAMTS359	ADAMTS360	ADAMTS361	ADAMTS362	ADAMTS363	ADAMTS364	ADAMTS365	ADAMTS366	ADAMTS367	ADAMTS368	ADAMTS369	ADAMTS370	ADAMTS371	ADAMTS372	ADAMTS373	ADAMTS374	ADAMTS375	ADAMTS376	ADAMTS377	ADAMTS378	ADAMTS379	ADAMTS380	ADAMTS381	ADAMTS382	ADAMTS383	ADAMTS384	ADAMTS385	ADAMTS386	ADAMTS387	ADAMTS388	ADAMTS389	ADAMTS390	ADAMTS391	ADAMTS392	ADAMTS393	ADAMTS394	ADAMTS395	ADAMTS396	ADAMTS397	ADAMTS398	ADAMTS399	ADAMTS400	ADAMTS401	ADAMTS402	ADAMTS403	ADAMTS404	ADAMTS405	ADAMTS406	ADAMTS407	ADAMTS408	ADAMTS409	ADAMTS410	ADAMTS411	ADAMTS412	ADAMTS413	ADAMTS414	ADAMTS415	ADAMTS416	ADAMTS417	ADAMTS418	ADAMTS419	ADAMTS420	ADAMTS421	ADAMTS422	ADAMTS423	ADAMTS424	ADAMTS425	ADAMTS426	ADAMTS427	ADAMTS428	ADAMTS429	ADAMTS430	ADAMTS431	ADAMTS432	ADAMTS433	ADAMTS434	ADAMTS435	ADAMTS436	ADAMTS437	ADAMTS438	ADAMTS439	ADAMTS440	ADAMTS441	ADAMTS442	ADAMTS443	ADAMTS444	ADAMTS445	ADAMTS446	ADAMTS447	ADAMTS448	ADAMTS449	ADAMTS450	ADAMTS451	ADAMTS452	ADAMTS453	ADAMTS454	ADAMTS455	ADAMTS456	ADAMTS457	ADAMTS458	ADAMTS459	ADAMTS460	ADAMTS461	ADAMTS462	ADAMTS463	ADAMTS464	ADAMTS465	ADAMTS466	ADAMTS467	ADAMTS468	ADAMTS469	ADAMTS470	ADAMTS471	ADAMTS472	ADAMTS473	ADAMTS474	ADAMTS475	ADAMTS476	ADAMTS477	ADAMTS478	ADAMTS479	ADAMTS480	ADAMTS481	ADAMTS482	ADAMTS483	ADAMTS484	ADAMTS485	ADAMTS486	ADAMTS487	ADAMTS488	ADAMTS489	ADAMTS490	ADAMTS491	ADAMTS492	ADAMTS493	ADAMTS494	ADAMTS495	ADAMTS496	ADAMTS497	ADAMTS498	ADAMTS499	ADAMTS500	ADAMTS501	ADAMTS502	ADAMTS503	ADAMTS504	ADAMTS505	ADAMTS506	ADAMTS507	ADAMTS508	ADAMTS509	ADAMTS510	ADAMTS511	ADAMTS512	ADAMTS513	ADAMTS514	ADAMTS515	ADAMTS516	ADAMTS517	ADAMTS518	ADAMTS519	ADAMTS520	ADAMTS521	ADAMTS522	ADAMTS523	ADAMTS524	ADAMTS525	ADAMTS526	ADAMTS527	ADAMTS528	ADAMTS529	ADAMTS530	ADAMTS531	ADAMTS532	ADAMTS533	ADAMTS534	ADAMTS535	ADAMTS536	ADAMTS537	ADAMTS538	ADAMTS539	ADAMTS540	ADAMTS541	ADAMTS542	ADAMTS543	ADAMTS544	ADAMTS545	ADAMTS546	ADAMTS547	ADAMTS548	ADAMTS549	ADAMTS550	ADAMTS551	ADAMTS552	ADAMTS553	ADAMTS554	ADAMTS555	ADAMTS556	ADAMTS557	ADAMTS558	ADAMTS559	ADAMTS560	ADAMTS561	ADAMTS562	ADAMTS563	ADAMTS564	ADAMTS565	ADAMTS566	ADAMTS567	ADAMTS568	ADAMTS569	ADAMTS570	ADAMTS571	ADAMTS572	ADAMTS573	ADAMTS574	ADAMTS575	ADAMTS576	ADAMTS577	ADAMTS578	ADAMTS579	ADAMTS580	ADAMTS581	ADAMTS582	ADAMTS583	ADAMTS584	ADAMTS585	ADAMTS586	ADAMTS587	ADAMTS588	ADAMTS589	ADAMTS590	ADAMTS591	ADAMTS592	ADAMTS593	ADAMTS594	ADAMTS595	ADAMTS596	ADAMTS597	ADAMTS598	ADAMTS599	ADAMTS600	ADAMTS601	ADAMTS602	ADAMTS603	ADAMTS604	ADAMTS605	ADAMTS606	ADAMTS607	ADAMTS608	ADAMTS609	ADAMTS610	ADAMTS611	ADAMTS612	ADAMTS613	ADAMTS614	ADAMTS615	ADAMTS616	ADAMTS617	ADAMTS618	ADAMTS619	ADAMTS620	ADAMTS621	ADAMTS622	ADAMTS623	ADAMTS624	ADAMTS625	ADAMTS626	ADAMTS627	ADAMTS628	ADAMTS629	ADAMTS630	ADAMTS631	ADAMTS632	ADAMTS633	ADAMTS634	ADAMTS635	ADAMTS636	ADAMTS637	ADAMTS638	ADAMTS639	ADAMTS640	ADAMTS641	ADAMTS642	ADAMTS643	ADAMTS644	ADAMTS645	ADAMTS646	ADAMTS647	ADAMTS648	ADAMTS649	ADAMTS650	ADAMTS651	ADAMTS652	ADAMTS653	ADAMTS654	ADAMTS655	ADAMTS656	ADAMTS657	ADAMTS658	ADAMTS659	ADAMTS660	ADAMTS661	ADAMTS662	ADAMTS663	ADAMTS664	ADAMTS665	ADAMTS666	ADAMTS667	ADAMTS668	ADAMTS669	ADAMTS670	ADAMTS671	ADAMTS672	ADAMTS673	ADAMTS674	ADAMTS675	ADAMTS676	ADAMTS677	ADAMTS678	ADAMTS679	ADAMTS680	ADAMTS681	ADAMTS682	ADAMTS683	ADAMTS684	ADAMTS685	ADAMTS686	ADAMTS687	ADAMTS688	ADAMTS689	ADAMTS690	ADAMTS691	ADAMTS692	ADAMTS693	ADAMTS694	ADAMTS695	ADAMTS696	ADAMTS697	ADAMTS698	ADAMTS699	ADAMTS700	ADAMTS701	ADAMTS702	ADAMTS703	ADAMTS704	ADAMTS705	ADAMTS706	ADAMTS707	ADAMTS708	ADAMTS709	ADAMTS710	ADAMTS711	ADAMTS712	ADAMTS713	ADAMTS714	ADAMTS715	ADAMTS716	ADAMTS717	ADAMTS718	ADAMTS719	ADAMTS720	ADAMTS721	ADAMTS722	ADAMTS723	ADAMTS724	ADAMTS725	ADAMTS726	ADAMTS727	ADAMTS728	ADAMTS729	ADAMTS730	ADAMTS731	ADAMTS732	ADAMTS733	ADAMTS734	ADAMTS735	ADAMTS736	ADAMTS737	ADAMTS738	ADAMTS739	ADAMTS740	ADAMTS741	ADAMTS742	ADAMTS743	ADAMTS744	ADAMTS745	ADAMTS746	ADAMTS747	ADAMTS748	ADAMTS749	ADAMTS750	ADAMTS751	ADAMTS752	ADAMTS753	ADAMTS754	ADAMTS755	ADAMTS756	ADAMTS757	ADAMTS758	ADAMTS759	ADAMTS760	ADAMTS761	ADAMTS762	ADAMTS763	ADAMTS764	ADAMTS765	ADAMTS766	ADAMTS767	ADAMTS768	ADAMTS769	ADAMTS770	ADAMTS771	ADAMTS772	ADAMTS773	ADAMTS774	ADAMTS775	ADAMTS776	ADAMTS777	ADAMTS778	ADAMTS779	ADAMTS780	ADAMTS781	ADAMTS782	ADAMTS783	ADAMTS784	ADAMTS785	ADAMTS786	ADAMTS787	ADAMTS788	ADAMTS789	ADAMTS790	ADAMTS791	ADAMTS792	ADAMTS793	ADAMTS794	ADAMTS795	ADAMTS796	ADAMTS797	ADAMTS798	ADAMTS799	ADAMTS800	ADAMTS801	ADAMTS802	ADAMTS803	ADAMTS804	ADAMTS805	ADAMTS806	ADAMTS807	ADAMTS808	ADAMTS809	ADAMTS810	ADAMTS811	ADAMTS812	ADAMTS813	ADAMTS814	ADAMTS815	ADAMTS816	ADAMTS817	ADAMTS818	ADAMTS819	ADAMTS820	ADAMTS821	ADAMTS822	ADAMTS823	ADAMTS824	ADAMTS825	ADAMTS826	ADAMTS827	ADAMTS828	ADAMTS829	ADAMTS830	ADAMTS831	ADAMTS832	ADAMTS833	ADAMTS834	ADAMTS835	ADAMTS836	ADAMTS837	ADAMTS838	ADAMTS839	ADAMTS840	ADAMTS841	ADAMTS842	ADAMTS843	ADAMTS844	ADAMTS845	ADAMTS846	ADAMTS847	ADAMTS848	ADAMTS849	ADAMTS850	ADAMTS851	ADAMTS852	ADAMTS853	ADAMTS854	ADAMTS855	ADAMTS856	ADAMTS857	ADAMTS858	ADAMTS859	ADAMTS860	ADAMTS861	ADAMTS862	ADAMTS863	ADAMTS864	ADAMTS865	ADAMTS866	ADAMTS867	ADAMTS868	ADAMTS869	ADAMTS870	ADAMTS871	ADAMTS872	ADAMTS873	ADAMTS874	ADAMTS875	ADAMTS876	ADAMTS877	ADAMTS878	ADAMTS879	ADAMTS880	ADAMTS881	ADAMTS882	ADAMTS883	ADAMTS884	ADAMTS885	ADAMTS886	ADAMTS887	ADAMTS888	ADAMTS889	ADAMTS890	ADAMTS891	ADAMTS892	ADAMTS893	ADAMTS894	ADAMTS895	ADAMTS896	ADAMTS897	ADAMTS898	ADAMTS899	ADAMTS900	ADAMTS901	ADAMTS902	ADAMTS903	ADAMTS904	ADAMTS905	ADAMTS906	ADAMTS907	ADAMTS908	ADAMTS909	ADAMTS910	ADAMTS911	ADAMTS912	ADAMTS913	ADAMTS914	ADAMTS915	ADAMTS916	ADAMTS917	ADAMTS918	ADAMTS919
-------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------	-----------

# Nuestro equipo de genetistas está disponible para proporcionar, tanto al médico como al paciente, asesoramiento genético en caso necesario



## Razones para elegir Dreamgenics

### » Certificaciones de Calidad

Dreamgenics está certificada por la Asociación Española de Normalización y Certificación (AENOR) para las normas ISO 9001:2015, UNE-EN ISO 13485:2018 y UNE-ISO/IEC 27001:2017.

Estas certificaciones demuestran nuestro compromiso con todos los productos y servicios que ofrecemos a nuestros clientes.



### » Formación continua especializada

Nuestro equipo de genetistas sigue un Plan específico de Formación Continuada, además de estar asociadas a la Asociación Española de Genética Humana (AEGH) y la Sociedad Europea de Genética Humana (ESHG), lo que les permite estar, en todo momento, al día del conocimiento científico más actual.

### » Asesoramiento genético

La correcta interpretación de los resultados obtenidos es esencial en cualquier prueba genética. Nuestras genetistas están disponibles para proporcionar, tanto al médico como al paciente, asesoramiento genético en caso necesario.

### » Software con marcado CE-IVD

El análisis bioinformático de los datos genómicos provenientes de secuenciación es un **paso clave** en un estudio genético.

En Dreamgenics empleamos para ello **nuestro propio software Genome One, el cual posee marcado CE-IVD** (Número de Licencia: 7157-PS) y está certificado bajo la norma UNE-EN ISO 13485:2018.

Este marcado demuestra que Genome One cumple con la Directiva Europea de Dispositivos de Diagnóstico In Vitro (IVDD 98/79/EC).

### » Estudios genéticos diagnósticos

Como especialistas en diagnóstico genético, ofrecemos la **posibilidad de llevar a cabo un estudio genético diagnóstico** posterior en caso de que se identifique una variante Patogénica o Probablemente Patogénica en el test genético preventivo.

Esto proporciona a los pacientes una **confianza y seguridad adicionales** a la hora de realizar un test DG Preventive.

#### Sobre nosotros

Dreamgenics™ es una empresa biotecnológica creada en 2011 que desarrolla su actividad en el campo del diagnóstico genético y la bioinformática. Realizamos análisis de datos proveniente de secuenciación masiva (NGS) utilizando herramientas bioinformáticas de desarrollo propio, lo que nos da una importante ventaja competitiva frente a otras empresas, aumentando el rendimiento diagnóstico de nuestros estudios. Como muestra de nuestro compromiso con ofrecer siempre productos y servicios que cumplan los estándares de calidad más exigentes, estamos certificados por AENOR en las normas ISO 9001, ISO 13485 e ISO 27001, y nuestro software de análisis bioinformático, Genome One, cuenta con marcado CE-IVD.

¿Te interesan nuestros servicios? Escríbenos a [genetica@dreamgenics.com](mailto:genetica@dreamgenics.com)

