

DG Preventive Essential

¿Qué es DG Preventive Essential?

DG Preventive Essential es un test que analiza los **81 genes accionables cuyo estudio está recomendado por la ACMG** y que están relacionados con **37 enfermedades** de elevada incidencia, la mayoría de ellas enfermedades cardiovasculares y cáncer.

Genética y enfermedad

Las enfermedades cardiovasculares y el cáncer son las dos primeras causas de muerte en todo el mundo. Se sabe que hasta el **15% de los cánceres** tiene un componente genético hereditario y hasta el **25% de las muertes súbitas cardíacas** son debidas a anomalías genéticas en genes responsables de la estructura del músculo cardíaco o del ritmo del corazón.

¿A quién está dirigido?

El test DG Preventive Essential está pensado para:

- » Personas con **historial familiar de enfermedad cardiovascular hereditaria**.
- » Personas con **historial familiar de cáncer hereditario**.
- » Personas sanas que estén preocupadas por el cuidado de su salud y la de sus familiares.

¿Por qué es importante realizarlo?

Conocer la predisposición a algunas enfermedades de origen genético permite establecer estrategias preventivas o de detección en estadios muy tempranos o presintomáticos permitiendo un tratamiento más eficaz.

Todo ello aporta las siguiente ventajas:

- » **Reduce la incertidumbre y la ansiedad** sobre el riesgo de padecer una enfermedad hereditaria accionable.
- » Proporciona **información muy valiosa para toda la familia**, incluso para los miembros que no hayan sido analizados.
- » **Permite realizar un seguimiento adecuado** para cada miembro de la familia en función de los resultados obtenidos.

Características

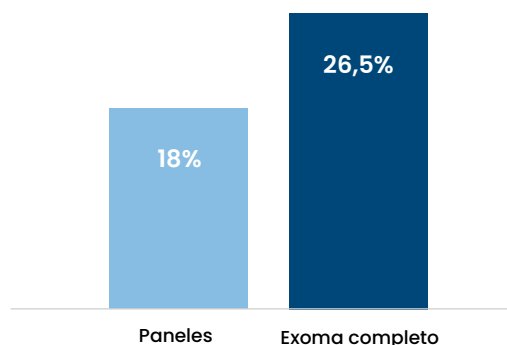
- » Librería Agilent SureSelect
- » Plataforma DNBSEQ™-G400 (IVD)
- » Secuenciación de las regiones genómicas codificantes de **más de 20.000 genes**
- » **Cobertura media de 100-150x**
- » Análisis bioinformático utilizando **nuestro software Genome One**
- » Clasificación de variantes según **criterios ACMG**
- » Análisis de **SNVs, Indels y CNVs**
- » Muestras: Sangre EDTA, saliva y exudado bucal
- » Plazo de entrega: 25 días laborables

Ventajas del exoma completo en un estudio genético preventivo

Frente a los paneles comerciales, la secuenciación del exoma completo ofrece las siguientes ventajas:

- » **Posibilidad de ampliación del estudio** a otros genes de interés para el especialista.
- » Reanálisis de nuevos genes candidatos que la comunidad científica vaya descubriendo **sin necesidad de volver a secuenciar**.
- » **Interpretación diagnóstica de todo el exoma** en caso necesario en un futuro.

Comparativa de rendimiento diagnóstico



Fuente: Circ Cardiovasc Genet. 2017.

Listado de genes agrupados por patología

Patología	Genes asociados		
Cáncer	Síndrome de Lynch	<i>MLH1, MSH2, MSH6, PMS2</i>	
	Poliposis adenomatosa familiar	<i>APC</i>	
	Síndrome de poliposis juvenil	<i>BMPR1A, SMAD4</i>	
	Poliposis asociada a MUTYH	<i>MUTYH</i>	
	Cáncer de mama y ovario hereditario	<i>BRCA1, BRCA2, PALB2</i>	
	Retinoblastoma	<i>RB1</i>	
	Neoplasia endocrina múltiple 1	<i>MEN1</i>	
	Cáncer familiar tiroideo familiar/Neoplasia endocrina múltiple 2	<i>RET</i>	
	Feocromocitoma-paranganglioma hereditario	<i>MAX, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD, TMEM127</i>	
	Síndrome de hamartoma PTEN	<i>PTEN</i>	
	Síndrome de Peutz-Jeghers	<i>STK11</i>	
	Síndrome de von Hippel-Lindau	<i>VHL</i>	
	Síndrome Li-Fraumeni	<i>TP53</i>	
	Tumor de Wilms	<i>WT1</i>	
	Complejo esclerosis tuberosa	<i>TSC1, TSC2</i>	
	Neurofibromatosis Tipo 2	<i>NF2</i>	
	Cardiovascular	Aortopatías	<i>ACTA2, FBN1, MYH11, SMAD3, TGFB1, TGFB2</i>
		Síndrome de Ehlers-Danlos tipo vascular	<i>COL3A1</i>
Síndrome de Brugada		<i>SCN5A</i>	
Síndrome de QT largo tipos 1 y 2		<i>KCNH2, KCNQ1</i>	
Síndrome de QT largo tipos 14-16		<i>CALM1, CALM2, CALM3</i>	
Taquicardia ventricular polimórfica catecolaminérgica		<i>CASQ2, RYR2, TRDN</i>	
Miocardiopatía arritmogénica		<i>DSC2, DSG2, DSP, PKP2, TMEM43</i>	
Miocardiopatía dilatada		<i>BAG3, DES, FLNC, LMNA, RBM20, TTN, TNNC1, TNNT2</i>	
Miocardiopatía hipertrófica		<i>ACTC1, MYBPC3, MYH7, MYL2, MYL3, PRKAG2, TPM1, TNNI3</i>	
Hipercolesterolemia familiar		<i>APOB, LDLR, PCSK9</i>	
Errores innatos del metabolismo	Deficiencia de biotinidasa	<i>BTD</i>	
	Enfermedad de Fabry	<i>GLA</i>	
	Deficiencia de ornitina transcarbamilasa	<i>OTC</i>	
	Enfermedad de almacenamiento del glicógeno II (Enfermedad de Pompe)	<i>GAA</i>	
	Otros	Hemocromatosis hereditaria	<i>HFE</i>
Telangiectasia hemorrágica hereditaria		<i>ACVRL1, ENG</i>	
Diabetes del adulto de inicio juvenil		<i>HNF1A</i>	
Amaurosis congénita de Leber/Retinitis pigmentosa 20		<i>RPE65</i>	
Enfermedad de Wilson		<i>ATP7B</i>	
Hipertermia maligna		<i>CACNA1S, RYR1</i>	
Amiloidosis hereditaria mediada por transtiretina		<i>TTR</i>	

*En el diseño del test DG Preventive Essential se han incluido los 81 genes accionables cuyo estudio está **recomendado por la ACMG** en su última actualización de Junio de 2023 (v3.2).

Referencias

- Seidemann SB, et al. Application of whole exome sequencing in the clinical diagnosis and management of inherited cardiovascular diseases in adults. *Circ Cardiovasc Genet.* 2017;10(1):e001573.
- Richards, S, Aziz, N, Bale, S. et al. Standards and guidelines for the interpretation of sequence variants: a joint consensus recommendation of the American College of Medical Genetics and Genomics and the Association for Molecular Pathology. *Genet Med* 17, 405–423 (2015).
- Miller DT, et al. ACMG SF v3.2 list for reporting of secondary findings in clinical exome and genome sequencing: A policy statement of the American College of Medical Genetics and Genomics (ACMG). *Genet Med.* 2023 Aug;25(8):100866.
- Wilde AAM, et al. European Heart Rhythm Association (EHRA)/Heart Rhythm Society (HRS)/Asia Pacific Heart Rhythm Society (APHRS)/Latin American Heart Rhythm Society (LAHRS) Expert Consensus Statement on the State of Genetic Testing for Cardiac Diseases. *Heart Rhythm.* 2022 Jul;19(7).
- van Dijk EI, Auger H, Jaszczyszyn Y, Thermes C. Ten years of next-generation sequencing technology. *Trends Genet.* 2014;30:418–426.
- Nielsen FC, et al. Hereditary breast and ovarian cancer: new genes in confined pathways. *Nat Rev Cancer.* 2016 Sep;16(9):599–612.

¿Cómo son los informes DG Preventive?

Todos los informes DG Preventive están redactados de manera sencilla para que sean **fácilmente entendibles por el paciente**. Su contenido se divide en cuatro bloques.

Bloque 1: Resultado

Contiene toda la información referente a los **resultados obtenidos** tras el análisis de la muestra del paciente.

Resultado

Gen	Variant*	Clasificación	Fenotipo asociado
BRCA1	c.2191A>C Heterocigota (55%)	Patológica	Cáncer de Mama y Ovario Hereditario

1. ANTECEDENTES

2. INTERPRETACIÓN

El Cáncer de Mama y Ovario Hereditario es un tipo de tumor debido a mutaciones genéticas presentes en la línea germinal que han sido heredadas de los progenitores y constituyen el 7% de los casos de cáncer de mama y ovario en el 70% de los cánceres de mama.

3. FENOTIPO ASOCIADO

El Cáncer de Mama y Ovario Hereditario es un tipo de tumor debido a mutaciones genéticas presentes en la línea germinal que han sido heredadas de los progenitores y constituyen el 7% de los casos de cáncer de mama y ovario en el 70% de los cánceres de mama.

4. RECOMENDACIONES

En caso de detectar alguna variante **Patológica** o **Probablemente Patológica** se recomienda consultar con el médico especialista para una correcta interpretación de los resultados.

Bloque 2: Interpretación

Se explica de manera detallada cuáles son los **posibles resultados** y la **implicación** de cada uno de ellos. También se aporta información de interés para los familiares.

Interpretación de Resultados

Patológica	Probablemente Patológica	Insuficiente
Una variante Patológica es un cambio en el ADN asociado a una enfermedad genética o que presenta un aumento del riesgo o desarrollo de una enfermedad genética.	Una variante Probablemente Patológica es un cambio en el ADN que presenta una probabilidad de más del 50% de ser causa de un aumento del riesgo o desarrollo de una enfermedad genética.	Un resultado Insuficiente indica que no se ha identificado ninguna variante Patológica o Probablemente Patológica en el conjunto de genes analizados.

INFORMACIÓN PARA FAMILIARES

La identificación de una variante **Patológica** o **Probablemente Patológica** relacionada con una enfermedad genética puede implicar la presencia de dicha variante en los familiares. Por ello es muy recomendable realizar estudios genéticos específicos en los familiares en riesgo para identificar aquellos que sean portadores de la misma alteración. Recomendamos que comparta los resultados obtenidos en este estudio con sus familiares y su médico para que este le ayude a determinar su propio riesgo personal y familiar.

Del mismo modo, un resultado **Insuficiente** en este estudio no descarta la posibilidad de que sus familiares puedan presentar una variante Patológica o Probablemente Patológica en el conjunto de genes analizados en este estudio u otros, principalmente cuando existen antecedentes familiares de una enfermedad de origen genético. En todos los casos, se recomienda que un genetista debidamente cualificado realice una consulta de asesoramiento genético o con la necesidad de realizar estudios genéticos en los familiares.

Bloque 3: Genes y Enfermedades

Se indican los **genes analizados** y las **enfermedades estudiadas**. Así mismo, se describen las características del estudio realizado.

GENES ANALIZADOS

Los 149 genes analizados en DG Preventive Premium han sido seleccionados en base a criterios clínicos y científicos a partir de las recomendaciones del American College of Medical Genetics and Genomics (ACMG):

- 129 genes asociados a enfermedades monogénicas recesivas o ligadas al cromosoma X.
- 14 genes asociados a enfermedades cardiovasculares hereditarias.
- 88 genes asociados a cáncer hereditario.
- 4 genes adicionales adicionales según ACMG.

88 genes asociados a cáncer hereditario:

AP1	BRCA2	CDKN2A	HR	MTX1	MTX2	POLH	RE1	SMAD4	TSC1
AP1T	BRCA1	CDKN2B	IKZF1	MTX3	MTX4	PRSS41A	RET	SMAD4B	TSC2
AP2	CDK7	CDKN2D	MLL1	PKNOX1	PKNOX2	PKNOX3	PKNOX4	SMAD3	TSC3
AP3	CDKN2E	CDKN2F	MLL2	PKNOX5	PKNOX6	PKNOX7	PKNOX8	SMAD2	TSC4
AP4	CDKN2G	CDKN2H	MLL3	PKNOX9	PKNOX10	PKNOX11	PKNOX12	SMAD1	TSC5
AP5	CDKN2I	CDKN2J	MLL4	PKNOX13	PKNOX14	PKNOX15	PKNOX16	SMAD5	TSC6
AP6	CDKN2K	CDKN2L	MLL5	PKNOX17	PKNOX18	PKNOX19	PKNOX20	SMAD6	TSC7
AP7	CDKN2M	CDKN2N	MLL6	PKNOX21	PKNOX22	PKNOX23	PKNOX24	SMAD7	TSC8
AP8	CDKN2O	CDKN2P	MLL7	PKNOX25	PKNOX26	PKNOX27	PKNOX28	SMAD8	TSC9
AP9	CDKN2Q	CDKN2R	MLL8	PKNOX29	PKNOX30	PKNOX31	PKNOX32	SMAD9	TSC10
AP10	CDKN2S	CDKN2T	MLL9	PKNOX33	PKNOX34	PKNOX35	PKNOX36	SMAD10	TSC11
AP11	CDKN2U	CDKN2V	MLL10	PKNOX37	PKNOX38	PKNOX39	PKNOX40	SMAD11A	TSC12
AP12	CDKN2W	CDKN2X	MLL11	PKNOX41	PKNOX42	PKNOX43	PKNOX44	SMAD11B	TSC13
AP13	CDKN2Y	CDKN2Z	MLL12	PKNOX45	PKNOX46	PKNOX47	PKNOX48	SMAD11C	TSC14
AP14	CDKN2AA	CDKN2AB	MLL13	PKNOX49	PKNOX50	PKNOX51	PKNOX52	SMAD11D	TSC15
AP15	CDKN2AC	CDKN2AD	MLL14	PKNOX53	PKNOX54	PKNOX55	PKNOX56	SMAD11E	TSC16
AP16	CDKN2AE	CDKN2AF	MLL15	PKNOX57	PKNOX58	PKNOX59	PKNOX60	SMAD11F	TSC17
AP17	CDKN2AG	CDKN2AH	MLL16	PKNOX61	PKNOX62	PKNOX63	PKNOX64	SMAD11G	TSC18
AP18	CDKN2AI	CDKN2AJ	MLL17	PKNOX65	PKNOX66	PKNOX67	PKNOX68	SMAD11H	TSC19
AP19	CDKN2AK	CDKN2AL	MLL18	PKNOX69	PKNOX70	PKNOX71	PKNOX72	SMAD11I	TSC20
AP20	CDKN2AM	CDKN2AN	MLL19	PKNOX73	PKNOX74	PKNOX75	PKNOX76	SMAD11J	TSC21
AP21	CDKN2AO	CDKN2AP	MLL20	PKNOX77	PKNOX78	PKNOX79	PKNOX80	SMAD11K	TSC22
AP22	CDKN2AQ	CDKN2AR	MLL21	PKNOX81	PKNOX82	PKNOX83	PKNOX84	SMAD11L	TSC23
AP23	CDKN2AS	CDKN2AT	MLL22	PKNOX85	PKNOX86	PKNOX87	PKNOX88	SMAD11M	TSC24
AP24	CDKN2AU	CDKN2AV	MLL23	PKNOX89	PKNOX90	PKNOX91	PKNOX92	SMAD11N	TSC25
AP25	CDKN2AW	CDKN2AX	MLL24	PKNOX93	PKNOX94	PKNOX95	PKNOX96	SMAD11O	TSC26
AP26	CDKN2AY	CDKN2AZ	MLL25	PKNOX97	PKNOX98	PKNOX99	PKNOX100	SMAD11P	TSC27
AP27	CDKN2BA	CDKN2BB	MLL26	PKNOX101	PKNOX102	PKNOX103	PKNOX104	SMAD11Q	TSC28
AP28	CDKN2BC	CDKN2BD	MLL27	PKNOX105	PKNOX106	PKNOX107	PKNOX108	SMAD11R	TSC29
AP29	CDKN2BE	CDKN2BF	MLL28	PKNOX109	PKNOX110	PKNOX111	PKNOX112	SMAD11S	TSC30
AP30	CDKN2BG	CDKN2BH	MLL29	PKNOX113	PKNOX114	PKNOX115	PKNOX116	SMAD11T	TSC31
AP31	CDKN2BI	CDKN2BJ	MLL30	PKNOX117	PKNOX118	PKNOX119	PKNOX120	SMAD11U	TSC32
AP32	CDKN2BK	CDKN2BL	MLL31	PKNOX121	PKNOX122	PKNOX123	PKNOX124	SMAD11V	TSC33
AP33	CDKN2BM	CDKN2BN	MLL32	PKNOX125	PKNOX126	PKNOX127	PKNOX128	SMAD11W	TSC34
AP34	CDKN2BO	CDKN2BP	MLL33	PKNOX129	PKNOX130	PKNOX131	PKNOX132	SMAD11X	TSC35
AP35	CDKN2BQ	CDKN2BR	MLL34	PKNOX133	PKNOX134	PKNOX135	PKNOX136	SMAD11Y	TSC36
AP36	CDKN2BS	CDKN2BT	MLL35	PKNOX137	PKNOX138	PKNOX139	PKNOX140	SMAD11Z	TSC37
AP37	CDKN2BU	CDKN2BV	MLL36	PKNOX141	PKNOX142	PKNOX143	PKNOX144	SMAD12A	TSC38
AP38	CDKN2BW	CDKN2BX	MLL37	PKNOX145	PKNOX146	PKNOX147	PKNOX148	SMAD12B	TSC39
AP39	CDKN2BY	CDKN2BZ	MLL38	PKNOX149	PKNOX150	PKNOX151	PKNOX152	SMAD12C	TSC40
AP40	CDKN2CA	CDKN2CB	MLL39	PKNOX153	PKNOX154	PKNOX155	PKNOX156	SMAD12D	TSC41
AP41	CDKN2CC	CDKN2CD	MLL40	PKNOX157	PKNOX158	PKNOX159	PKNOX160	SMAD12E	TSC42
AP42	CDKN2CE	CDKN2CF	MLL41	PKNOX161	PKNOX162	PKNOX163	PKNOX164	SMAD12F	TSC43
AP43	CDKN2CG	CDKN2CH	MLL42	PKNOX165	PKNOX166	PKNOX167	PKNOX168	SMAD12G	TSC44
AP44	CDKN2CI	CDKN2CJ	MLL43	PKNOX169	PKNOX170	PKNOX171	PKNOX172	SMAD12H	TSC45
AP45	CDKN2CK	CDKN2CL	MLL44	PKNOX173	PKNOX174	PKNOX175	PKNOX176	SMAD12I	TSC46
AP46	CDKN2CM	CDKN2CN	MLL45	PKNOX177	PKNOX178	PKNOX179	PKNOX180	SMAD12J	TSC47
AP47	CDKN2CO	CDKN2CP	MLL46	PKNOX181	PKNOX182	PKNOX183	PKNOX184	SMAD12K	TSC48
AP48	CDKN2CQ	CDKN2CR	MLL47	PKNOX185	PKNOX186	PKNOX187	PKNOX188	SMAD12L	TSC49
AP49	CDKN2CS	CDKN2CT	MLL48	PKNOX189	PKNOX190	PKNOX191	PKNOX192	SMAD12M	TSC50
AP50	CDKN2CU	CDKN2CV	MLL49	PKNOX193	PKNOX194	PKNOX195	PKNOX196	SMAD12N	TSC51
AP51	CDKN2CW	CDKN2CX	MLL50	PKNOX197	PKNOX198	PKNOX199	PKNOX200	SMAD12O	TSC52
AP52	CDKN2CY	CDKN2CZ	MLL51	PKNOX201	PKNOX202	PKNOX203	PKNOX204	SMAD12P	TSC53
AP53	CDKN2CA	CDKN2CB	MLL52	PKNOX205	PKNOX206	PKNOX207	PKNOX208	SMAD12Q	TSC54
AP54	CDKN2CC	CDKN2CD	MLL53	PKNOX209	PKNOX210	PKNOX211	PKNOX212	SMAD12R	TSC55
AP55	CDKN2CE	CDKN2CF	MLL54	PKNOX213	PKNOX214	PKNOX215	PKNOX216	SMAD12S	TSC56
AP56	CDKN2CG	CDKN2CH	MLL55	PKNOX217	PKNOX218	PKNOX219	PKNOX220	SMAD12T	TSC57
AP57	CDKN2CI	CDKN2CJ	MLL56	PKNOX221	PKNOX222	PKNOX223	PKNOX224	SMAD12U	TSC58
AP58	CDKN2CK	CDKN2CL	MLL57	PKNOX225	PKNOX226	PKNOX227	PKNOX228	SMAD12V	TSC59
AP59	CDKN2CM	CDKN2CN	MLL58	PKNOX229	PKNOX230	PKNOX231	PKNOX232	SMAD12W	TSC60
AP60	CDKN2CO	CDKN2CP	MLL59	PKNOX233	PKNOX234	PKNOX235	PKNOX236	SMAD12X	TSC61
AP61	CDKN2CQ	CDKN2CR	MLL60	PKNOX237	PKNOX238	PKNOX239	PKNOX240	SMAD12Y	TSC62
AP62	CDKN2CS	CDKN2CT	MLL61	PKNOX241	PKNOX242	PKNOX243	PKNOX244	SMAD12Z	TSC63
AP63	CDKN2CU	CDKN2CV	MLL62	PKNOX245	PKNOX246	PKNOX247	PKNOX248	SMAD13A	TSC64
AP64	CDKN2CW	CDKN2CX	MLL63	PKNOX249	PKNOX250	PKNOX251	PKNOX252	SMAD13B	TSC65
AP65	CDKN2CY	CDKN2CZ	MLL64	PKNOX253	PKNOX254	PKNOX255	PKNOX256	SMAD13C	TSC66
AP66	CDKN2CA	CDKN2CB	MLL65	PKNOX257	PKNOX258	PKNOX259	PKNOX260	SMAD13D	TSC67
AP67	CDKN2CC	CDKN2CD	MLL66	PKNOX261	PKNOX262	PKNOX263	PKNOX264	SMAD13E	TSC68
AP68	CDKN2CE	CDKN2CF	MLL67	PKNOX265	PKNOX266	PKNOX267	PKNOX268	SMAD13F	TSC69
AP69	CDKN2CG	CDKN2CH	MLL68	PKNOX269	PKNOX270	PKNOX271	PKNOX272	SMAD13G	TSC70
AP70	CDKN2CI	CDKN2CJ	MLL69	PKNOX273	PKNOX274	PKNOX275	PKNOX276	SMAD13H	TSC71
AP71	CDKN2CK	CDKN2CL	MLL70	PKNOX277	PKNOX278	PKNOX279	PKNOX280	SMAD13I	TSC72
AP72	CDKN2CM	CDKN2CN	MLL71	PKNOX281	PKNOX282	PKNOX283	PKNOX284	SMAD13J	TSC73
AP73	CDKN2CO	CDKN2CP	MLL72	PKNOX285	PKNOX286	PKNOX287	PKNOX288	SMAD13K	TSC74
AP74	CDKN2CQ	CDKN2CR	MLL73	PKNOX289	PKNOX290	PKNOX291	PKNOX292	SMAD13L	TSC75
AP75	CDKN2CS	CDKN2CT	MLL74	PKNOX293	PKNOX294	PKNOX295	PKNOX296	SMAD13M	TSC76
AP76	CDKN2CU	CDKN2CV	MLL75	PKNOX297	PKNOX298	PKNOX299	PKNOX300	SMAD13N	TSC77
AP77	CDKN2CW	CDKN2CX	MLL76	PKNOX301	PKNOX302	PKNOX303	PKNOX304	SMAD13O	TSC78
AP78	CDKN2CY	CDKN2CZ	MLL77	PKNOX305	PKNOX306	PKNOX307	PKNOX308	SMAD13P	TSC79
AP79	CDKN2CA	CDKN2CB	MLL78	PKNOX309	PKNOX310	PKNOX311	PKNOX312	SMAD13Q	TSC80
AP80	CDKN2CC	CDKN2CD	MLL79	PKNOX313	PKNOX314	PKNOX315	PKNOX316	SMAD13R	TSC81
AP81	CDKN2CE	CDKN2CF	MLL80	PKNOX317	PKNOX318	PKNOX319	PKNOX320	SMAD13S	TSC82
AP82	CDKN2CG	CDKN2CH	MLL81	PKNOX321	PKNOX322	PKNOX323	PKNOX324	SMAD13T	TSC83
AP83	CDKN2CI	CDKN2CJ	MLL82	PKNOX325	PKNOX326	PKNOX327	PKNOX328	SMAD13U	TSC84
AP84	CDKN2CK	CDKN2CL	MLL83	PKNOX329	PKNOX330	PKNOX331	PKNOX332	SMAD13V	TSC85
AP85	CDKN2CM	CDKN2CN	MLL84	PKNOX333	PKNOX334	PKNOX335	PKNOX336	SMAD13W	TSC86
AP86	CDKN2CO	CDKN2CP	MLL85	PKNOX337	PKNOX338	PKNOX339	PKNOX340	SMAD13X	TSC87
AP87	CDKN2CQ	CDKN2CR	MLL86	PKNOX341	PKNOX342	PKNOX343	PKNOX344	SMAD13Y	TSC88
AP88	CDKN2CS	CDKN2CT	MLL87	PKNOX345	PKNOX346	PKNOX347	PKNOX348	SMAD13Z	TSC89
AP89	CDKN2CU	CDKN2CV	MLL88	PKNOX349	PKNOX350	PKNOX351	PKNOX352	SMAD14A	TSC90
AP90	CDKN2CW	CDKN2CX	MLL89	PKNOX353	PKNOX354	PKNOX355	PKNOX356	SMAD14B	TSC91
AP91	CDKN2CY	CDKN2CZ	MLL90	PKNOX357	PKNOX358	PKNOX359	PKNOX360	SMAD14C	TSC92
AP92	CDKN2CA	CDKN2CB	MLL91	PKNOX361	PKNOX362	PKNOX363	PKNOX364	SMAD14D	TSC93
AP93	CDKN2CC	CDKN2CD	MLL92	PKNOX365	PKNOX366	PKNOX367	PKNOX368	SMAD14E	TSC94
AP94	CDKN2CE	CDKN2CF	MLL93	PKNOX369	PKNOX370	PKNOX371	PKNOX372	SMAD14F	TSC95
AP95	CDKN2CG	CDKN2CH	MLL94	PKNOX373	PKNOX374	PKNOX375	PKNOX376	SMAD14G	TSC96
AP96	CDKN2CI	CDKN2CJ	MLL95	PKNOX377	PKNOX378	PKNOX379	PKNOX380	SMAD14H	TSC97
AP97	CDKN2CK	CDKN2CL	MLL96	PKNOX381	PKNOX382	PKNOX383	PKNOX384	SMAD14I	TSC98
AP98	CDKN2CM	CDKN2CN	MLL97	PKNOX385	PKNOX386	PKNOX387	PKNOX388	SMAD14J	TSC99
AP99	CDKN2CO	CDKN2CP	MLL98	PKNOX389	PKNOX390	PKNOX391	PKNOX392	SMAD14K	TSC100
AP100	CDKN2CQ	CDKN2CR	MLL99	PKNOX393	PKNOX394	PKNOX395	PKNOX396	SMAD14L	TSC101
AP101	CDKN2CS	CDKN2CT	MLL100	PKNOX397	PKNOX398	PKNOX399	PKNOX400	SMAD14M	TSC102
AP102	CDKN2CU	CDKN2CV	MLL101	PKNOX401	PKNOX402	PKNOX403	PKNOX404	SMAD14N	TSC103
AP103	CDKN2CW	CDKN2CX	MLL102	PKNOX405	PKNOX406	PKNOX407	PKNOX408	SMAD14O	TSC104
AP104	CDKN2CY	CDKN2CZ	MLL103	PKNOX409	PKNOX410	PKNOX411	PKNOX412	SMAD14P	TSC105
AP105	CDKN2CA	CDKN2CB	MLL104	PKNOX413	PKNOX414	PKNOX415	PKNOX416	SMAD14Q	TSC106
AP106	CDKN2CC	CDKN2CD	MLL105	PKNOX417	PKNOX418	PKNOX419	PKNOX420	SMAD14R	TSC107
AP107	CDKN2CE	CDKN2CF	MLL10						

Nuestro equipo de genetistas está disponible para proporcionar, tanto al médico como al paciente, asesoramiento genético en caso necesario



Razones para elegir Dreamgenics

» Certificaciones de Calidad

Dreamgenics está certificada por la Asociación Española de Normalización y Certificación (AENOR) para las normas **ISO 9001:2015**, **UNE-EN ISO 13485:2018** y **UNE-ISO/IEC 27001:2017**.

Estas certificaciones demuestran nuestro compromiso con todos los productos y servicios que ofrecemos a nuestros clientes.



» Formación continua especializada

Nuestro equipo de genetistas sigue un Plan específico de Formación Continuada, además de estar asociadas a la **Asociación Española de Genética Humana (AEGH)** y la **Sociedad Europea de Genética Humana (ESHG)**, lo que les permite estar, en todo momento, al día del conocimiento científico más actual.

» Asesoramiento genético

La correcta interpretación de los resultados obtenidos es esencial en cualquier prueba genética. Nuestras genetistas están disponibles para proporcionar, **tanto al médico como al paciente, asesoramiento genético** en caso necesario.

» Equipos con marcado CE-IVD

El robot MGISP-100 que utilizamos para la preparación de librerías y nuestro secuenciador DNBSEQ™-G400 **tienen marcado CE-IVD**, por tanto, son equipos específicos para llevar a cabo pruebas de diagnóstico *in vitro*.

De la misma manera, para el análisis bioinformático de los datos provenientes de secuenciación empleamos **nuestro propio software Genome One, el cual posee también marcado CE-IVD** (Número de Licencia: 7157-PS) y está certificado por la Asociación Española de Normalización y Certificación (AENOR) bajo la norma **UNE-EN ISO 13485:2018**.

» Estudios genéticos diagnósticos

Como especialistas en diagnóstico genético, ofrecemos la **posibilidad de llevar a cabo un estudio genético diagnóstico** posterior en caso de que se identifique una variante Patogénica o Probablemente Patogénica en el test genético preventivo.

Esto proporciona a los pacientes una **confianza y seguridad adicionales** a la hora de realizar un test DG Preventive.

Sobre nosotros

Dreamgenics™ es una empresa biotecnológica creada en 2011 que desarrolla su actividad en el campo del diagnóstico genético y la bioinformática. Realizamos análisis de datos proveniente de secuenciación masiva (NGS) utilizando herramientas bioinformáticas de desarrollo propio, lo que nos da una importante ventaja competitiva frente a otras empresas, aumentando el rendimiento diagnóstico de nuestros estudios. Como muestra de nuestro compromiso con ofrecer siempre productos y servicios que cumplan los estándares de calidad más exigentes, estamos certificados por AENOR en las normas ISO 9001, ISO 13485 e ISO 27001, y nuestro software de análisis bioinformático, Genome One, cuenta con marcado CE-IVD.

¿Te interesan nuestros servicios? Escríbenos a genetica@dreamgenics.com

