

DG Preventive Premium

¿Qué es DG Preventive Premium?

DG Preventive Premium es un test genético preventivo que analiza **340 genes** relacionados con:

- » Riesgo de desarrollar 34 enfermedades cardiovasculares hereditarias.
- » Riesgo de desarrollar 35 tipos de cáncer hereditario.
- » Estatus de portador de 143 enfermedades de herencia autosómica recesiva o ligadas al cromosoma X.

Selección de genes

En el diseño del test DG Preventive Premium **se han seguido las recomendaciones de la ACMG** y otras sociedades científicas, como la American Heart Association, la Sociedad Española de Oncología Médica, el American College of Obstetricians and Gynecologists y la Sociedad Española de Fertilidad.

¿A quién está dirigido?

El test DG Preventive Premium está pensado para:

- » Personas con **historial familiar de enfermedad cardiovascular hereditaria**.
- » Personas con **historial familiar de cáncer hereditario**.
- » Personas sanas que estén preocupadas por el cuidado de su salud y la de sus familiares.
- » Cualquier persona que desee conocer el riesgo de transmitir a sus hijos una **enfermedad genética**.

¿Por qué es importante realizarlo?

Se sabe que hasta en el **15% de los casos de cáncer** y hasta en el **25% de las enfermedades cardiovasculares** existe un componente hereditario. La realización del estudio DG Preventive Premium puede ayudar a identificar personas con mutaciones en genes accionables que permita la implementación precoz de medidas terapéuticas y/o preventivas.

Por su parte, el estudio de enfermedades de herencia autosómica recesiva y ligadas al cromosoma X permite conocer el estatus de portador de estas patologías y obtener información sobre el **riesgo de transmisión a su descendencia** permitiendo una correcta planificación familiar.

Características

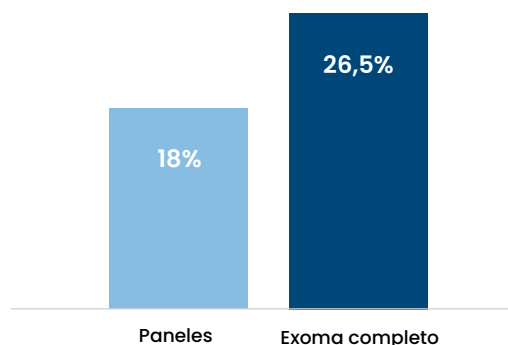
- » Librería Agilent SureSelect
- » Plataforma DNBSEQ™-G400 (IVD)
- » Secuenciación de las regiones genómicas codificantes de **más de 20.000 genes**
- » **Cobertura media de 100-150x**
- » Análisis bioinformático utilizando **nuestro software Genome One**
- » Clasificación de variantes según **criterios ACMG**
- » Análisis de **SNVs, Indels y CNVs**
- » Muestras: Sangre EDTA, saliva y exudado bucal
- » Plazo de entrega: 25 días laborables

Ventajas del exoma completo en un estudio genético preventivo

Frente a los paneles comerciales, la secuenciación del exoma completo ofrece las siguientes ventajas:

- » **Posibilidad de ampliación del estudio** a otros genes de interés para el especialista.
- » Reanálisis de nuevos genes candidatos que la comunidad científica vaya descubriendo **sin necesidad de volver a secuenciar**.
- » **Interpretación diagnóstica de todo el exoma** en caso necesario en un futuro.

Comparativa de rendimiento diagnóstico



Fuente: Circ Cardiovasc Genet. 2017.

Enfermedades monogénicas recesivas o ligadas al cromosoma X

Patología	Gen	Patología	Gen
Acidemia metilmalónica con homocistinuria	<i>MMACHC</i>	Hipoplasia pontocerebelar	<i>RARS2</i>
Aciduria alfa-metilacetoacética	<i>ACAT1</i>	Hipoplasia suprarrenal congénita ligada al cromosoma X	<i>NROB1</i>
Aciduria argininosuccínica	<i>ASL</i>	Hipotiroidismo	<i>TSHR</i>
Aciduria metilmalónica	<i>MMUT</i>	Homocistinuria	<i>CBS</i>
Aciduria mevalónica	<i>MVK</i>	Inmunodeficiencia combinada grave	<i>ADA</i>
Acromatopsia	<i>CNGB3</i>	Inmunodeficiencia combinada severa ligada al X	<i>IL2RG</i>
Adrenoleucodistrofia	<i>ABCD1</i>	Insuficiencia suprarrenal por deficiencia de CYP11A1	<i>CYP11A1</i>
Albinismo oculocutáneo tipo IA y IB	<i>TYR</i>	Intolerancia a la fructosa	<i>ALDOB</i>
Albinismo oculocutáneo tipo II	<i>OCA2</i>	Leucodistrofia metacromática	<i>ARSA</i>
Alfa talasemia	<i>HBA1</i>	Leucoencefalopatía megalencefálica con quistes subcorticales	<i>MLC1</i>
Alfa talasemia	<i>HBA2</i>	Linfocitosis hemofagocítica familiar	<i>PRF1</i>
Amaurosis congénita de Leber 2/Retinitis pigmentosa 20	<i>RPE65</i>	Microcefalia primaria	<i>MCPH1</i>
Amaurosis congénita de Leber 8/Retinitis pigmentosa 12	<i>CRB1</i>	Miopatía nemalínica	<i>NEB</i>
Anemia de Fanconi grupo A	<i>FANCA</i>	Miotonía de Thomsen	<i>CLCN1</i>
Anemia de Fanconi grupo C	<i>FANCC</i>	Mucopolipidosis II alfa/beta/Mucopolipidosis III alfa/beta	<i>GNPTAB</i>
Aspartilglucosaminuria	<i>AGA</i>	Mucopolipidosis tipo IV	<i>MCOLN1</i>
Ataxia espinocerebelar	<i>ANO10</i>	Mucopolisacaridosis Ih (Síndrome de Hurler)	<i>IDUA</i>
Atransferrinemia	<i>TF</i>	Mucopolisacaridosis tipo IIIa (San Filippo A)	<i>SGSH</i>
Beta talasemia	<i>HBB</i>	Mucopolisacaridosis tipo IIIb (San Filippo B)	<i>NAGLU</i>
Citrulinemia	<i>ASS1</i>	Mucopolisacaridosis tipo IIIC (San Filippo C)	<i>HGSNAT</i>
Deficiencia de 3-methylcrotonil CoA carboxilasa 2	<i>MCCC2</i>	Mucopolisacaridosis tipo IVA	<i>GALNS</i>
Deficiencia de acil-CoA deshidrogenasa de cadena media	<i>ACADM</i>	Neuropatía auditiva	<i>OTOF</i>
Deficiencia de biotinidasa	<i>BTBD</i>	Paraparesia espástica 2	<i>PLP1</i>
Deficiencia de carnitina palmitoiltransferasa II hepática	<i>CPT2</i>	Paraparesia espástica 7	<i>SPG7</i>
Deficiencia de ornitina transcarbamilasa	<i>OTC</i>	Poliendocrinopatía autoinmune tipo 1	<i>AIRE</i>
Deficiencia de piruvato deshidrogenasa	<i>DLD</i>	Poliquistosis renal autosómica recesiva	<i>PKHD1</i>
Deficiencia de transportador de creatina ligada al cromosoma X	<i>SLC6A8</i>	Raquitismo hipocalcémico dependiente de vitamina D	<i>CYP27B1</i>
Deficiencia del complejo IV mitocondrial	<i>SCO2</i>	Retinitis pigmentosa 3/Degeneración macular/Distrofia de conos y bastones 1	<i>RPGR</i>
Deficit de acil coA deshidrogenasa de cadena larga	<i>ACADVL</i>	Retinosquiasis ligada al cromosoma X	<i>RS1</i>
Déficit de alfa-1 antitripsina	<i>SERPINA1</i>	Síndrome de Aicardi Goutieres	<i>RNASEH2B</i>
Déficit de glucosa-6-fosfato deshidrogenasa	<i>G6PD</i>	Síndrome de Alport 1	<i>COL4A5</i>
Diabetes del adulto de inicio juvenil	<i>HNF1A</i>	Síndrome de Alport 2	<i>COL4A3</i>
Diabetes mellitus neonatal permanente	<i>ABCC8</i>	Síndrome de Alport 2	<i>COL4A4</i>
Disautonomía familiar	<i>ELP1</i>	Síndrome de Bardet-Biedl 1	<i>BBS1</i>
Discapacidad intelectual FRAXE	<i>AFF2</i>	Síndrome de Bardet-Biedl 2	<i>BBS2</i>
Displasia diastrófica	<i>SLC26A2</i>	Síndrome de Bloom	<i>BLM</i>
Distrofia muscular de cinturas autosómica recesiva tipo 1	<i>CAPN3</i>	Síndrome de depleción del ADN mitocondrial	<i>POLG</i>
Distrofia muscular de cinturas tipo C4	<i>FKTN</i>	Síndrome de disfunción del metabolismo de la tiamina	<i>SLC19A3</i>
Distrofia muscular de cinturas tipo C5	<i>FKRP</i>	Síndrome de Donnai-Barrow	<i>LRP2</i>
Distrofia muscular de Duchenne	<i>DMD</i>	Síndrome de Ehlers-Danlos similar al tipo clásico 1	<i>TNXB</i>
Encefalopatía epiléptica	<i>ARX</i>	Síndrome de Ellis-van Creveld	<i>EVC2</i>
Enfermedad de almacenamiento del glicógeno Ia	<i>G6PC1</i>	Síndrome de Fraser	<i>GRIP1</i>
Enfermedad de almacenamiento del glicógeno Ib	<i>SLC37A4</i>	Síndrome de Hermansky-Pudlak 1	<i>HPS1</i>
Enfermedad de almacenamiento del glicógeno II (Enfermedad de Pompe)	<i>GAA</i>	Síndrome de Hermansky-Pudlak 3	<i>HPS3</i>
Enfermedad de almacenamiento del glicógeno IV	<i>GBE1</i>	Síndrome de insensibilidad androgénica	<i>AR</i>
Enfermedad de Canavan	<i>ASPA</i>	Síndrome de Joubert 2	<i>TMEM216</i>
Enfermedad de Fabry	<i>GLA</i>	Síndrome de Joubert 3	<i>AHI1</i>
Enfermedad de Gaucher tipo I	<i>GBA</i>	Síndrome de Joubert 5/Síndrome de Meckel 4	<i>CEP290</i>
Enfermedad de la orina con olor a jarabe de arce	<i>BCKDHB</i>	Síndrome de Joubert 9/Síndrome de Meckel 6	<i>CC2D2A</i>
Enfermedad de Niemann-Pick tipo A y B	<i>SMPD1</i>	Síndrome de Omenn	<i>DCLRE1C</i>
Enfermedad de Oguchi	<i>SAG</i>	Síndrome de Opitz GBBB	<i>MID1</i>
Enfermedad de Schindler	<i>NAGA</i>	Síndrome de Pendred	<i>SLC26A4</i>
Enfermedad de Stargardt 1	<i>ABCA4</i>	Síndrome de polidactilia y costillas cortas	<i>DYNC2H1</i>
Enfermedad de Tay -Sachs	<i>HEXA</i>	Síndrome de Rett	<i>MECP2</i>
Enfermedad de Wilson	<i>ATP7B</i>	Síndrome de Smith-Lemli-Opitz	<i>DHCR7</i>
Enfermedad pulmonar intersticial por deficiencia de ABCA3	<i>ABCA3</i>	Síndrome de Usher tipo IB	<i>MYO7A</i>
Epidermolisis bullosa distrófica	<i>COL7A1</i>	Síndrome de Usher tipo ID	<i>PCDH15</i>
Fenilcetonuria	<i>PAH</i>	Síndrome de Usher tipo IIA	<i>USH2A</i>
Fibrosis quística	<i>CFTR</i>	Síndrome de Usher tipo IIIA	<i>CLRN1</i>
Fiebre mediterránea familiar	<i>MEFV</i>	Síndrome miasténico	<i>CHRNE</i>
Galactosemia	<i>GALT</i>	Síndrome nefrótico congénito tipo finlandés	<i>NPHS1</i>
Hemocromatosis	<i>HFE</i>	Sordera neurosensorial no sindrómica 1A	<i>GJB2</i>
Hemofilia A	<i>F8</i>	Sordera neurosensorial no sindrómica 8	<i>TMPRSS3</i>
Hemofilia B	<i>F9</i>	Tirosinemia tipo 1	<i>FAH</i>
Hidrocefalia con estenosis del acueducto de Silvio	<i>L1CAM</i>	Trastorno congénito de la glicosilación tipo 1a	<i>PMM2</i>
Hidrocefalia congénita	<i>CCDC88C</i>	Trastorno congénito de la glicosilación tipo 1b	<i>DHDDS</i>
Hiperoxaluria primaria tipo I	<i>AGXT</i>	Tricodistrofia	<i>ERCC2</i>
Hiperoxaluria primaria tipo II	<i>GNRHR</i>	Trimetilaminuria	<i>FMO3</i>
Hiperplasia adrenal congénita	<i>CYP21A2</i>	Xantomatosis cerebrotendinosa	<i>CYP27A1</i>
Hipertermia maligna 1	<i>RYR1</i>	Xeroderma pigmentosa, grupo A	<i>XPA</i>
Hipertermia maligna 5	<i>CACNA1S</i>	Xeroderma pigmentosa, grupo C	<i>XPC</i>
Hipofosfatasa infantil	<i>ALPL</i>		

*En negrita se muestran los genes accionables según la ACMG.

Cardiopatías hereditarias y cáncer hereditario

	Patología	Genes asociados
Aortopatías	Aneurisma de aorta torácica familiar, Síndrome de tortuosidad arterial, Síndrome de Loeys-Dietz, Síndrome de Marfan, Aracnodactilia contractural congénita, Síndrome de Ehlers-Danlos tipo vascular, Síndrome de Shprintzen-Goldberg, Cutis laxa	ACTA2, COL3A1, EFEMP2, ELN, FBN1, FBN2, LOX, MFAP5, MYH11, MYLK, PRKG1,SKI, SLC2A10, SMAD2, SMAD3, TGFB2, TGFB3, TGFB1, TGFB2
Canalopatías	Fibrilación atrial familiar, Fibrilación auricular familiar, Fibrilación ventricular paroxismal familiar, Síndrome de Brugada, Síndrome de QT largo, Síndrome de QT corto, Taquicardia ventricular polimórfica catecolaminérgica, Trastorno familiar de la conducción cardíaca	AKAP9, ANK2, CACNA1C, CACNB2, CALM1, CALM2, CALM3, CASQ2, DPP6, GJA5, GPD1L, HCN4, KCND3, KCNE1, KCNE2, KCNE3, KCNA5, KCNJ2, KCNJ5, KCNH2, KCNQ1, LMNA, NPPA, RYR2, SCN1B, SCN2B, SCN3B, SCN4B, SCN5A, SLC4A3, SNTA1, TBX5, TECRL, TRDN, TRPM4, TTN
Miocardopatías	Miocardopatía dilatada, Miocardopatía hipertrófica, Miocardopatía arritmogénica, Miocardopatía restrictiva, Miocardopatía no compactada	ABCC9, ACTC1, ACTN2, ALPK3, BAG3, CAV3, CSRP3, CRYAB, DES, DMD, DNTA, DSC2, DSG2, DSP, DTNA, FKTN, FLNC, JPH2, JUP, LAMA4, LDB3, LMNA, MIB1, MYBPC3, MYH6, MYH7, MYL2, MYL3, MYLK2, MYOZ2, MYPN, NEXN, PLN, PKP2, PPCS, PRDM16, PRKAG2, PSEN1, RAF1, RBM20, SCN5A, SGCD, TCAP, TMEM43, TPM1, TTN, TTR, TNNC1, TNNT2, TNNI3, VCL
Miocardopatía metabólica	Enfermedad de Danon, Enfermedad de Fabry, Enfermedad de Pompe, Amiloidosis hereditaria mediada por transtiretina	LAMP2, GLA, GAA, TTR
Factores de riesgo	Hemocromatosis hereditaria, Hipercolesterolemia familiar, Enfermedad por almacenamiento de ésteres de colesterol, Enfermedad tromboembólica	ABCG5, ABCG8, APOB, F2, F5, F9, HFE, LDLR, LDLRAP1, LIPA, PCSK9
Otras patologías con afectación cardíaca	Síndrome de comunicación interauricular con defecto de conducción, Telangiectasia hemorrágica hereditaria, Displasia de válvula cardíaca, Distrofia muscular Emery-Dreifuss, Enfermedad de la válvula aórtica	ACVRL1, EMD, ENG, FHL1, FLNA, GDF2, NKX2-5, NOTCH1, SMAD4

	Patología	Genes asociados
Cáncer colorrectal	Síndrome de Lynch, Poliposis adenomatosa, Síndrome de poliposis serrada, Síndrome de poliposis juvenil	APC, BMPR1A, EPCAM, GREM1, MLH1, MLH3, MSH2, MSH3, MSH6, MUTYH, NTHL1, PMS2, POLD1, POLE, RNF43, RPS20, SMAD4, TGFB2
Cáncer gástrico	Adenocarcinoma de esófago, Cáncer gástrico difuso hereditario, Tumor estromal gastrointestinal familiar	CDH1, KIT, MSR1, PDGFRA
Cáncer de mama	Cáncer de mama y ovario hereditario	ATM, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, PALB2, RAD51, RAD51C, RAD51D
Cáncer genitourinario	Cáncer de próstata hereditario, Carcinoma papilar de células renales familiar, Carcinoma de células renales, Leiomiomatosis y cáncer renal	FH, HNF1A, HNF1B, HOXB13, MET, RNASEL
Cáncer de piel	Melanoma cutáneo	CDK4, CDKN2A, MITF
Retinoblastoma	Retinoblastoma	RB1
Tumores neuroendocrinos	Neoplasia endocrina múltiple, Cáncer tiroideo no medular, Feocromocitoma-paraganglioma hereditario, Hiperparatiroidismo-síndrome de tumor de mandíbula, Adenoma hipofisiario	AIP, CDC73, CDKN1B, CDKN2A, MAX, MEN1, NKX2-1, RET, SDHA, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD, TMEM127
Síndromes de predisposición	Síndrome de Birt-Hogg-Dube, Síndrome de Cowden, Síndrome de Gorlin, Síndrome de hamartoma PTEN, Síndrome de Peutz-Jeghers, Síndrome de predisposición a tumor, Oligodoncia-síndrome de predisposición al cáncer, Síndrome de rotura de Nijmegen, Síndrome de von Hippel-Lindau, Síndrome Li-Fraumeni, Tumor de Wilms, Xeroderma pigmentosa, Complejo esclerosis tuberosa, Neurofibromatosis, Complejo de Carney	AKT1, AXIN2, BAP1, CHEK2, DDB2, DICER1, ERCC1, ERCC2, ERCC3, ERCC4, ERCC5, FLCN, KIT, NBN, NF1, NF2, PDGFRA, PIK3CA, POLH, PRKAR1A, PTCH1, PTEN, SEC23B, SMARCA4, SMARCB1, STK11, TP53, TSC1, TSC2, USF3, VHL, WT1, XPA, XPC

*En negrita se muestran los genes accionables según la ACMG.

Referencias

- Khairy P, et al. Sudden cardiac death in congenital heart disease. Eur Heart J. 2022 Jun 6;43(22):2103-2115.
- Seidemann SB, et al. Application of whole exome sequencing in the clinical diagnosis and management of inherited cardiovascular diseases in adults. Circ Cardiovasc Genet. 2017;10(1):e001573.
- Richards, S, Aziz, N, Bale, S, et al. Standards and guidelines for the interpretation of sequence variants: a joint consensus recommendation of the American College of Medical Genetics and Genomics and the Association for Molecular Pathology. Genet Med 17, 405-423 (2015).
- Miller DT, et al. ACMG SF v3.2 list for reporting of secondary findings in clinical exome and genome sequencing: A policy statement of the American College of Medical Genetics and Genomics (ACMG). Genet Med. 2023 Aug;25(8):100866.
- van Dijk EL, Auger H, Jaszczyszyn Y, Thermes C. Ten years of next-generation sequencing technology. Trends Genet. 2014;30:418-426.
- Nielsen FC, et al. Hereditary breast and ovarian cancer: new genes in confined pathways. Nat Rev Cancer. 2016 Sep;16(9):599-612.
- Sociedad Española de Oncología Médica (SEOM). Las cifras del cáncer en España (2021).
- Wilde AAM, et al. European Heart Rhythm Association (EHRA)/Heart Rhythm Society (HRS)/Asia Pacific Heart Rhythm Society (APHRS)/Latin American Heart Rhythm Society (LAHRS) Expert Consensus Statement on the State of Genetic Testing for Cardiac Diseases. Heart Rhythm. 2022 Jul;19(7).

¿Cómo son los informes DG Preventive?

Todos los informes DG Preventive están redactados de manera sencilla para que sean **fácilmente entendibles por el paciente**. Su contenido se divide en cuatro bloques.

Bloque 1: Resultado

Contiene toda la información referente a los **resultados obtenidos** tras el análisis de la muestra del paciente.

Premium DG Preventive

Nombre y Apellido: Lucía García Pérez
Fecha Nacimiento: 01/01/1980
Sexo: Mujer
ID interno: G220XX
Fecha Informe: 01/10/202X

Muestra: Sangre EDTA
Fecha recepción: 01/10/202X
Fecha informe: 01/10/202X

Cliente: Company S.L.
Paciente: -

RESULTADO

Gen	Variantes*	Clasificación	Fenotipo asociado
BRCA1	c.2151 G>C Heterocigoto (50%)	Patológica	Cáncer de Mama y Ovario Hereditario

*Mutaciones según la Human Genome Variation Society (HGVS)

1. ANTECEDENTES

No relevantes.

2. INTERPRETACIÓN

La presencia de una variante Patológica en el gen BRCA2 se asocia a un mayor riesgo o desarrollo de Cáncer de Mama y Ovario. El impacto de la variante identificada deberá ser valorado por un especialista de acuerdo a su historial clínico y familiar.

3. FENOTIPO ASOCIADO

El Cáncer de Mama y Ovario Hereditario es un tipo de tumor debido a mutaciones genéticas presentes en la línea germinal que han sido heredadas de los progenitores y constituyen el 7% de los casos de cáncer de mama y entre el 1-5% de los cánceres de ovario.

BRCA1 y BRCA2 son los genes que se asocian con una mayor proporción de casos de cáncer de mama y ovario hereditario y el riesgo de desarrollar la enfermedad varía según la mutación se encuentre en BRCA1 o BRCA2. El riesgo de desarrollar cáncer de mama en mujeres portadoras de mutación en BRCA2 supone entre un 55%-72% a los 70 años y de un 45%-65% para mujeres portadoras de una alteración en BRCA1. Para los hombres, la probabilidad de desarrollar cáncer de mama en portadores de mutación en BRCA2 es del 6% y del 1% en los portadores de mutación en BRCA1.

La identificación de una variante en BRCA1 o BRCA2 permite establecer protocolos de vigilancia y preventivos en el paciente, así como la identificación de otros familiares portadores.

4. RECOMENDACIONES

En caso de detectar alguna variante **Patológica** o **Probablemente Patológica** se recomienda consultar con el médico especialista para una correcta interpretación de los resultados.

Dreamgenics

Bloque 2: Interpretación

Se explica de manera detallada cuáles son los **posibles resultados** y la **implicación** de cada uno de ellos. También se aporta información de interés para los familiares.

Nombre: Lucía García Pérez
Sexo: Mujer
ID Interno: G220XX
Fecha Informe: 01/10/202X

INTERPRETACIÓN DE RESULTADOS

PATOLÓGICA	PROBABLEMENTE PATOLÓGICA	NEGATIVA
Una variante Patológica es un cambio en el ADN que aumenta la probabilidad de presentar o desarrollar una enfermedad genética.	Una variante Probablemente Patológica es un cambio en el ADN que presenta una probabilidad de más del 50% de ser causa o de aumentar el riesgo o desarrollar una enfermedad genética.	Un resultado Negativo indica que no se ha identificado ninguna variante Patológica o Probablemente Patológica en el conjunto de genes analizados.

Una variante **Patológica** o **Probablemente Patológica** indica la presencia de la enfermedad asociada o una mayor predisposición al desarrollo de la misma. En algunos casos, la presencia de este tipo de variantes no determina con total certeza la aparición de la enfermedad y el riesgo asociado debe evaluarse para cada variante identificada de manera específica. Para una correcta interpretación de estos resultados y determinación de su implicación clínica es necesario conocer el historial clínico y familiar del paciente, así como la información aportada por otros pruebas médicas y/o de laboratorio. Deberá ser un genetista, dentro de una consulta de asesoramiento genético, quien deberá informarte de cuál es la implicación que la variante identificada puede tener en su salud y cuáles son las medidas adecuadas a tomar.

Un resultado **Negativo** en este estudio indica que no se ha identificado ninguna variante Patológica o Probablemente Patológica en el conjunto de genes analizados. En este caso, el riesgo de ser afecto o desarrollar alguna de las enfermedades estudiadas es bajo, aunque no es posible descartar su aparición con total certeza. Igualmente, un resultado negativo no descarta la presencia de otras enfermedades genéticas o no genéticas no incluidas en este estudio.

El equipo de genetistas de Dreamgenics puede ayudar a interpretar su informe genético preventivo y a tomar la mejor decisión para usted en base a los resultados obtenidos.

INFORMACIÓN PARA FAMILIARES

La identificación de una variante **Patológica** o **Probablemente Patológica** relacionada con una enfermedad genética puede implicar la presencia de dicha variante en los familiares. Por ello es muy recomendable realizar estudios genéticos específicos en los familiares en riesgo para identificar aquellas que sean portadoras de la misma alteración. Recomendamos que compare los resultados obtenidos en este estudio con sus familiares y su médico para que éste le ayude a determinar su propio riesgo personal y familiar.

Del mismo modo, un resultado **Negativo** en este estudio no descarta la posibilidad de que sus familiares puedan presentar una variante Patológica o Probablemente Patológica en el conjunto de genes analizados en este estudio o, incluso, principalmente cuando existan antecedentes familiares de una enfermedad de origen genético. En todos los casos, se recomienda que un genetista debidamente cualificado realice una consulta de asesoramiento genético o cuando la necesidad de realizar estudios genéticos en los familiares.

El equipo de genetistas de Dreamgenics puede ayudar a interpretar su informe genético preventivo y a tomar la mejor decisión para usted y sus familiares.

Dreamgenics

Bloque 3: Genes y Enfermedades

Se indican los **genes analizados** y las **enfermedades estudiadas**. Así mismo, se describen las características del estudio realizado.

Nombre: Lucía García Pérez
Sexo: Mujer
ID Interno: G220XX
Fecha Informe: 01/10/202X

GENES ANALIZADOS

Los 345 genes analizados en DG Preventive Premium han sido seleccionados en base a criterios clínicos y científicos a partir de las recomendaciones del American College of Medical Genetics and Genomics (ACMG):

- 129 genes asociados a enfermedades monogénicas recesivas o ligadas al cromosoma X.

ABCA1	ABCA2	ABCA3	ABCA4	ABCA5	ABCA6	ABCA7	ABCA8	ABCA9	ABCA10	ABCA11	ABCA12	ABCA13	ABCA14	ABCA15	ABCA16	ABCA17	ABCA18	ABCA19	ABCA20	ABCA21	ABCA22	ABCA23	ABCA24	ABCA25	ABCA26	ABCA27	ABCA28	ABCA29	ABCA30	ABCA31	ABCA32	ABCA33	ABCA34	ABCA35	ABCA36	ABCA37	ABCA38	ABCA39	ABCA40	ABCA41	ABCA42	ABCA43	ABCA44	ABCA45	ABCA46	ABCA47	ABCA48	ABCA49	ABCA50	ABCA51	ABCA52	ABCA53	ABCA54	ABCA55	ABCA56	ABCA57	ABCA58	ABCA59	ABCA60	ABCA61	ABCA62	ABCA63	ABCA64	ABCA65	ABCA66	ABCA67	ABCA68	ABCA69	ABCA70	ABCA71	ABCA72	ABCA73	ABCA74	ABCA75	ABCA76	ABCA77	ABCA78	ABCA79	ABCA80	ABCA81	ABCA82	ABCA83	ABCA84	ABCA85	ABCA86	ABCA87	ABCA88	ABCA89	ABCA90	ABCA91	ABCA92	ABCA93	ABCA94	ABCA95	ABCA96	ABCA97	ABCA98	ABCA99	ABCA100	ABCA101	ABCA102	ABCA103	ABCA104	ABCA105	ABCA106	ABCA107	ABCA108	ABCA109	ABCA110	ABCA111	ABCA112	ABCA113	ABCA114	ABCA115	ABCA116	ABCA117	ABCA118	ABCA119	ABCA120	ABCA121	ABCA122	ABCA123	ABCA124	ABCA125	ABCA126	ABCA127	ABCA128	ABCA129	ABCA130	ABCA131	ABCA132	ABCA133	ABCA134	ABCA135	ABCA136	ABCA137	ABCA138	ABCA139	ABCA140	ABCA141	ABCA142	ABCA143	ABCA144	ABCA145	ABCA146	ABCA147	ABCA148	ABCA149	ABCA150	ABCA151	ABCA152	ABCA153	ABCA154	ABCA155	ABCA156	ABCA157	ABCA158	ABCA159	ABCA160	ABCA161	ABCA162	ABCA163	ABCA164	ABCA165	ABCA166	ABCA167	ABCA168	ABCA169	ABCA170	ABCA171	ABCA172	ABCA173	ABCA174	ABCA175	ABCA176	ABCA177	ABCA178	ABCA179	ABCA180	ABCA181	ABCA182	ABCA183	ABCA184	ABCA185	ABCA186	ABCA187	ABCA188	ABCA189	ABCA190	ABCA191	ABCA192	ABCA193	ABCA194	ABCA195	ABCA196	ABCA197	ABCA198	ABCA199	ABCA200	ABCA201	ABCA202	ABCA203	ABCA204	ABCA205	ABCA206	ABCA207	ABCA208	ABCA209	ABCA210	ABCA211	ABCA212	ABCA213	ABCA214	ABCA215	ABCA216	ABCA217	ABCA218	ABCA219	ABCA220	ABCA221	ABCA222	ABCA223	ABCA224	ABCA225	ABCA226	ABCA227	ABCA228	ABCA229	ABCA230	ABCA231	ABCA232	ABCA233	ABCA234	ABCA235	ABCA236	ABCA237	ABCA238	ABCA239	ABCA240	ABCA241	ABCA242	ABCA243	ABCA244	ABCA245	ABCA246	ABCA247	ABCA248	ABCA249	ABCA250	ABCA251	ABCA252	ABCA253	ABCA254	ABCA255	ABCA256	ABCA257	ABCA258	ABCA259	ABCA260	ABCA261	ABCA262	ABCA263	ABCA264	ABCA265	ABCA266	ABCA267	ABCA268	ABCA269	ABCA270	ABCA271	ABCA272	ABCA273	ABCA274	ABCA275	ABCA276	ABCA277	ABCA278	ABCA279	ABCA280	ABCA281	ABCA282	ABCA283	ABCA284	ABCA285	ABCA286	ABCA287	ABCA288	ABCA289	ABCA290	ABCA291	ABCA292	ABCA293	ABCA294	ABCA295	ABCA296	ABCA297	ABCA298	ABCA299	ABCA300	ABCA301	ABCA302	ABCA303	ABCA304	ABCA305	ABCA306	ABCA307	ABCA308	ABCA309	ABCA310	ABCA311	ABCA312	ABCA313	ABCA314	ABCA315	ABCA316	ABCA317	ABCA318	ABCA319	ABCA320	ABCA321	ABCA322	ABCA323	ABCA324	ABCA325	ABCA326	ABCA327	ABCA328	ABCA329	ABCA330	ABCA331	ABCA332	ABCA333	ABCA334	ABCA335	ABCA336	ABCA337	ABCA338	ABCA339	ABCA340	ABCA341	ABCA342	ABCA343	ABCA344	ABCA345	ABCA346	ABCA347	ABCA348	ABCA349	ABCA350	ABCA351	ABCA352	ABCA353	ABCA354	ABCA355	ABCA356	ABCA357	ABCA358	ABCA359	ABCA360	ABCA361	ABCA362	ABCA363	ABCA364	ABCA365	ABCA366	ABCA367	ABCA368	ABCA369	ABCA370	ABCA371	ABCA372	ABCA373	ABCA374	ABCA375	ABCA376	ABCA377	ABCA378	ABCA379	ABCA380	ABCA381	ABCA382	ABCA383	ABCA384	ABCA385	ABCA386	ABCA387	ABCA388	ABCA389	ABCA390	ABCA391	ABCA392	ABCA393	ABCA394	ABCA395	ABCA396	ABCA397	ABCA398	ABCA399	ABCA400	ABCA401	ABCA402	ABCA403	ABCA404	ABCA405	ABCA406	ABCA407	ABCA408	ABCA409	ABCA410	ABCA411	ABCA412	ABCA413	ABCA414	ABCA415	ABCA416	ABCA417	ABCA418	ABCA419	ABCA420	ABCA421	ABCA422	ABCA423	ABCA424	ABCA425	ABCA426	ABCA427	ABCA428	ABCA429	ABCA430	ABCA431	ABCA432	ABCA433	ABCA434	ABCA435	ABCA436	ABCA437	ABCA438	ABCA439	ABCA440	ABCA441	ABCA442	ABCA443	ABCA444	ABCA445	ABCA446	ABCA447	ABCA448	ABCA449	ABCA450	ABCA451	ABCA452	ABCA453	ABCA454	ABCA455	ABCA456	ABCA457	ABCA458	ABCA459	ABCA460	ABCA461	ABCA462	ABCA463	ABCA464	ABCA465	ABCA466	ABCA467	ABCA468	ABCA469	ABCA470	ABCA471	ABCA472	ABCA473	ABCA474	ABCA475	ABCA476	ABCA477	ABCA478	ABCA479	ABCA480	ABCA481	ABCA482	ABCA483	ABCA484	ABCA485	ABCA486	ABCA487	ABCA488	ABCA489	ABCA490	ABCA491	ABCA492	ABCA493	ABCA494	ABCA495	ABCA496	ABCA497	ABCA498	ABCA499	ABCA500	ABCA501	ABCA502	ABCA503	ABCA504	ABCA505	ABCA506	ABCA507	ABCA508	ABCA509	ABCA510	ABCA511	ABCA512	ABCA513	ABCA514	ABCA515	ABCA516	ABCA517	ABCA518	ABCA519	ABCA520	ABCA521	ABCA522	ABCA523	ABCA524	ABCA525	ABCA526	ABCA527	ABCA528	ABCA529	ABCA530	ABCA531	ABCA532	ABCA533	ABCA534	ABCA535	ABCA536	ABCA537	ABCA538	ABCA539	ABCA540	ABCA541	ABCA542	ABCA543	ABCA544	ABCA545	ABCA546	ABCA547	ABCA548	ABCA549	ABCA550	ABCA551	ABCA552	ABCA553	ABCA554	ABCA555	ABCA556	ABCA557	ABCA558	ABCA559	ABCA560	ABCA561	ABCA562	ABCA563	ABCA564	ABCA565	ABCA566	ABCA567	ABCA568	ABCA569	ABCA570	ABCA571	ABCA572	ABCA573	ABCA574	ABCA575	ABCA576	ABCA577	ABCA578	ABCA579	ABCA580	ABCA581	ABCA582	ABCA583	ABCA584	ABCA585	ABCA586	ABCA587	ABCA588	ABCA589	ABCA590	ABCA591	ABCA592	ABCA593	ABCA594	ABCA595	ABCA596	ABCA597	ABCA598	ABCA599	ABCA600	ABCA601	ABCA602	ABCA603	ABCA604	ABCA605	ABCA606	ABCA607	ABCA608	ABCA609	ABCA610	ABCA611	ABCA612	ABCA613	ABCA614	ABCA615	ABCA616	ABCA617	ABCA618	ABCA619	ABCA620	ABCA621	ABCA622	ABCA623	ABCA624	ABCA625	ABCA626	ABCA627	ABCA628	ABCA629	ABCA630	ABCA631	ABCA632	ABCA633	ABCA634	ABCA635	ABCA636	ABCA637	ABCA638	ABCA639	ABCA640	ABCA641	ABCA642	ABCA643	ABCA644	ABCA645	ABCA646	ABCA647	ABCA648	ABCA649	ABCA650	ABCA651	ABCA652	ABCA653	ABCA654	ABCA655	ABCA656	ABCA657	ABCA658	ABCA659	ABCA660	ABCA661	ABCA662	ABCA663	ABCA664	ABCA665	ABCA666	ABCA667	ABCA668	ABCA669	ABCA670	ABCA671	ABCA672	ABCA673	ABCA674	ABCA675	ABCA676	ABCA677	ABCA678	ABCA679	ABCA680	ABCA681	ABCA682	ABCA683	ABCA684	ABCA685	ABCA686	ABCA687	ABCA688	ABCA689	ABCA690	ABCA691	ABCA692	ABCA693	ABCA694	ABCA695	ABCA696	ABCA697	ABCA698	ABCA699	ABCA700	ABCA701	ABCA702	ABCA703	ABCA704	ABCA705	ABCA706	ABCA707	ABCA708	ABCA709	ABCA710	ABCA711	ABCA712	ABCA713	ABCA714	ABCA715	ABCA716	ABCA717	ABCA718	ABCA719	ABCA720	ABCA721	ABCA722	ABCA723	ABCA724	ABCA725	ABCA726	ABCA727	ABCA728	ABCA729	ABCA730	ABCA731	ABCA732	ABCA733	ABCA734	ABCA735	ABCA736	ABCA737	ABCA738	ABCA739	ABCA740	ABCA741	ABCA742	ABCA743	ABCA744	ABCA745	ABCA746	ABCA747	ABCA748	ABCA749	ABCA750	ABCA751	ABCA752	ABCA753	ABCA754	ABCA755	ABCA756	ABCA757	ABCA758	ABCA759	ABCA760	ABCA761	ABCA762	ABCA763	ABCA764	ABCA765	ABCA766	ABCA767	ABCA768	ABCA769	ABCA770	ABCA771	ABCA772	ABCA773	ABCA774	ABCA775	ABCA776	ABCA777	ABCA778	ABCA779	ABCA780	ABCA781	ABCA782	ABCA783	ABCA784	ABCA785	ABCA786	ABCA787	ABCA788	ABCA789	ABCA790	ABCA791	ABCA792	ABCA793	ABCA794	ABCA795	ABCA796	ABCA797	ABCA798	ABCA799	ABCA800	ABCA801	ABCA802	ABCA803	ABCA804	ABCA805	ABCA806	ABCA807	ABCA808	ABCA809	ABCA810	ABCA811	ABCA812	ABCA813	ABCA814	ABCA815	ABCA816	ABCA817	ABCA818	ABCA819	ABCA820	ABCA821	ABCA822	ABCA823	ABCA824	ABCA825	ABCA826	ABCA827	ABCA828	ABCA829	ABCA830	ABCA831	ABCA832	ABCA833	ABCA834	ABCA835	ABCA836	ABCA837	ABCA838	ABCA839	ABCA840	ABCA841	ABCA842	ABCA843	ABCA844	ABCA845	ABCA846	ABCA847	ABCA848	ABCA849	ABCA850	ABCA851	ABCA852	ABCA853	ABCA854	ABCA855	ABCA856	ABCA857	ABCA858	ABCA859	ABCA860	ABCA861	ABCA862	ABCA863	ABCA864	ABCA865	ABCA866	ABCA867	ABCA868	ABCA869	ABCA870	ABCA871	ABCA872	ABCA873	ABCA874	ABCA875	ABCA876	ABCA877	ABCA878	ABCA879	ABCA880	ABCA881	ABCA882	ABCA883	ABCA884	ABCA885	ABCA886	ABCA887	ABCA888	ABCA889	ABCA890	ABCA891	ABCA892	ABCA893	ABCA894	ABCA895	ABCA896	ABCA897	ABCA898	ABCA899	ABCA900	ABCA901	ABCA902	ABCA903	ABCA904	ABCA905	ABCA906	ABCA907	ABCA908	ABCA909	ABCA910	ABCA911	ABCA912	ABCA913	ABCA914	ABCA915	ABCA916	ABCA917	ABCA918	ABCA919	ABCA920	ABCA921	ABCA922	ABCA923	ABCA924	ABCA925	ABCA926	ABCA927	ABCA928	ABCA929	ABCA930	ABCA931	ABCA932	ABCA933	ABCA934	ABCA935	ABCA936	ABCA937	ABCA938	ABCA939	ABCA940	ABCA941	ABCA942	ABCA943	ABCA944	ABCA945	ABCA946	ABCA947	ABCA948	ABCA949	ABCA950	ABCA951	ABCA952	ABCA953	ABCA954	ABCA955	ABCA956	ABCA957	ABCA958	ABCA959	ABCA960	ABCA961	ABCA962	ABCA963	ABCA964	ABCA965	ABCA966	ABCA967	ABCA968	ABCA969	ABCA970	ABCA971	ABCA972	ABCA973	ABCA974	ABCA975	ABCA976	ABCA977	ABCA978	ABCA979	ABCA980	ABCA981	ABCA982	ABCA983	ABCA984	ABCA985	ABCA986	ABCA987	ABCA988	ABCA989	ABCA990	ABCA991	ABCA992	ABCA993	ABCA994	ABCA995	ABCA996	ABCA997	ABCA998	ABCA999	ABCA1000	ABCA1001	ABCA1002	ABCA1003	ABCA1004	ABCA1005	ABCA1006	ABCA1007	ABCA1008	ABCA1009	ABCA1010	ABCA1011	ABCA1012	ABCA1013	ABCA1014	ABCA1015	ABCA1016	ABCA1017	ABCA1018	ABCA1019	ABCA1020	ABCA1021	ABCA1022	ABCA1023	ABCA1024	ABCA10
-------	-------	-------	-------	-------	-------	-------	-------	-------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	--------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	---------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	----------	--------

Nuestro equipo de genetistas está disponible para proporcionar, tanto al médico como al paciente, asesoramiento genético en caso necesario



Razones para elegir Dreamgenics

» Certificaciones de Calidad

Dreamgenics está certificada por la Asociación Española de Normalización y Certificación (AENOR) para las normas ISO 9001:2015, UNE-EN ISO 13485:2018 y UNE-ISO/IEC 27001:2017.

Estas certificaciones demuestran nuestro compromiso con todos los productos y servicios que ofrecemos a nuestros clientes.



» Formación continua especializada

Nuestro equipo de genetistas sigue un Plan específico de Formación Continuada, además de estar asociadas a la **Asociación Española de Genética Humana (AEGH)** y la **Sociedad Europea de Genética Humana (ESHG)**, lo que les permite estar, en todo momento, al día del conocimiento científico más actual.

» Asesoramiento genético

La correcta interpretación de los resultados obtenidos es esencial en cualquier prueba genética. Nuestras genetistas están disponibles para proporcionar, **tanto al médico como al paciente, asesoramiento genético** en caso necesario.

» Equipos con marcado CE-IVD

El robot MGISP-100 que utilizamos para la preparación de librerías y nuestro secuenciador DNBSEQ™-G400 **tienen marcado CE-IVD**, por tanto, son equipos específicos para llevar a cabo pruebas de diagnóstico *in vitro*.

Para el análisis bioinformático de los datos provenientes de secuenciación masiva empleamos **nuestro propio software Genome One**, el cual está certificado por AENOR en la norma UNE-EN ISO 13485:2018.

» Estudios genéticos diagnósticos

Como especialistas en diagnóstico genético, ofrecemos la **posibilidad de llevar a cabo un estudio genético diagnóstico** posterior en caso de que se identifique una variante Patogénica o Probablemente Patogénica en el test genético preventivo.

Esto proporciona a los pacientes una **confianza y seguridad adicionales** a la hora de realizar un test DG Preventive.

Sobre nosotros

Dreamgenics™ es una empresa biotecnológica creada en 2011 que desarrolla su actividad en el campo del diagnóstico genético y la bioinformática. Realizamos análisis de datos proveniente de secuenciación masiva (NGS) utilizando herramientas bioinformáticas de desarrollo propio, lo que nos da una importante ventaja competitiva frente a otras empresas, aumentando el rendimiento diagnóstico de nuestros estudios. Como muestra de nuestro compromiso con ofrecer siempre productos y servicios que cumplan los estándares de calidad más exigentes, estamos certificados por AENOR en las normas ISO 9001, ISO 13485 e ISO 27001.

¿Te interesan nuestros servicios? Escríbenos a genetica@dreamgenics.com

