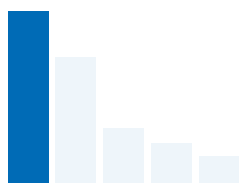


# DG Preventive Cardio

Las enfermedades cardiovasculares son la primera causa de muerte en el mundo y **hasta el 25% de las muertes súbitas cardíacas son debidas a anomalías genéticas** en genes responsables de la estructura del músculo cardíaco o del ritmo del corazón.

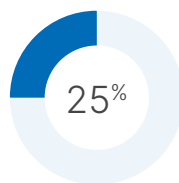
Conocer de manera prematura la existencia de mutaciones en genes relacionados con estas patologías permitiría implementar medidas preventivas adecuadas y realizar un seguimiento cercano de estos pacientes por parte de los médicos especialistas.

## Enfermedades cardiovasculares

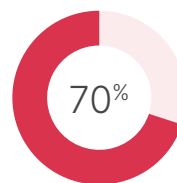


Primera causa de muerte en el mundo

## Muertes súbitas cardíacas de origen genético



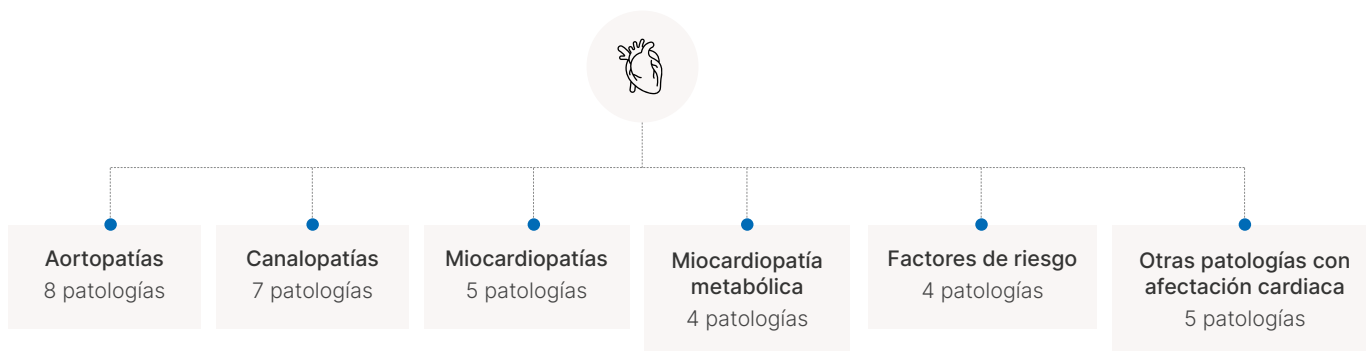
Población general



Jóvenes <35 años

DG Preventive Cardio es un test genético preventivo que **analiza 125 genes asociados a 33 enfermedades cardiovasculares hereditarias**.

Este estudio puede ayudar a identificar la existencia de mutaciones en genes relacionados con estas patologías permitiendo implementar medidas preventivas adecuadas y realizar un seguimiento de estos pacientes por parte de los médicos especialistas.



## Genes analizados agrupados por patología

Patología	Genes
<b>Aortopatías</b>	
Aneurisma de aorta torácica familiar	<b>ACTA2</b> , <i>LOX</i> , <i>MFAP5</i> , <b>MYH11</b> , <i>MYLK</i> , <i>PRKG1</i>
Síndrome de tortuosidad arterial	<i>SLC2A10</i>
Síndrome de Loeys-Dietz	<i>SMAD2</i> , <b>SMAD3</b> , <i>TGFB2</i> , <i>TGFB3</i> , <b>TGFBR1</b> , <b>TGFBR2</b>
Síndrome de Marfan	<b>FBN1</b>
Aracnodactilia contractural congénita	<i>FBN2</i>
Síndrome de Ehlers-Danlos tipo vascular	<b>COL3A1</b>
Síndrome de Shprintzen-Goldberg	<i>SKI</i>
Cutis laxa	<i>EFEMP2</i> , <i>ELN</i>
<b>Canalopatías</b>	
Fibrilación auricular familiar	<i>GJA5</i> , <i>KCNA5</i> , <b>KCNH2</b> , <i>KCNJ2</i> , <b>KCNQ1</b> , <i>LMNA</i> , <i>NPPA</i> , <i>SCN1B</i> , <i>SCN2B</i> , <i>SCN3B</i> , <i>SCN4B</i> , <b>SCN5A</b> , <i>TBX5</i> , <b>TTN</b>
Fibrilación ventricular paroxismal familiar	<i>DPP6</i>
Síndrome de Brugada	<i>CACNA1C</i> , <i>CACNB2</i> , <i>GPD1L</i> , <i>HCN4</i> , <i>KCND3</i> , <i>KCNE3</i> , <i>SCN1B</i> , <b>SCN5A</b>
Síndrome de QT largo	<i>AKAP9</i> , <i>ANK2</i> , <b>CALM1</b> , <b>CALM2</b> , <b>CALM3</b> , <i>KCNE1</i> , <i>KCNE2</i> , <b>KCNH2</b> , <i>KCNJ5</i> , <b>KCNQ1</b> , <i>SCN3B</i> , <i>SCN4B</i> , <b>SCN5A</b> , <i>SNTA1</i> , <b>TRDN</b>
Síndrome de QT corto	<b>KCNH2</b> , <b>KCNQ1</b> , <i>SLC4A3</i>
Taquicardia ventricular polimórfica catecolaminérgica	<b>CASQ2</b> , <b>CALM1</b> , <b>CALM2</b> , <b>CALM3</b> , <i>KCNJ2</i> , <b>RYR2</b> , <b>TRDN</b> , <i>TECRL</i>
Trastorno familiar de la conducción cardíaca	<i>TRPM4</i> , <b>SCN5A</b>
<b>Miocardiopatías</b>	
Miocardiopatía dilatada	<i>ABCC9</i> , <b>ACTC1</b> , <i>ACTN2</i> , <b>BAG3</b> , <i>CRYAB</i> , <b>DES</b> , <i>DMD</i> , <b>DSP</b> , <i>FKTN</i> , <b>FLNC</b> , <i>LAMA4</i> , <i>LDB3</i> , <b>LMNA</b> , <i>JPH2</i> , <i>MYH6</i> , <b>MYH7</b> , <i>MYPN</i> , <i>NEXN</i> , <i>PLN</i> , <i>PPCS</i> , <i>PSEN1</i> , <i>RAF1</i> , <b>RBM20</b> , <i>SGCD</i> , <b>SCN5A</b> , <b>TTN</b> , <b>TNNC1</b> , <b>TNNI3</b> , <b>TNNT2</b> , <i>TPM1</i> , <i>PRDM16</i> , <i>VCL</i>
Miocardiopatía hipertrófica	<b>ACTC1</b> , <i>ACTN2</i> , <i>ALPK3</i> , <i>CAV3</i> , <i>CSR3</i> , <i>JPH2</i> , <i>MYLK2</i> , <i>MYOZ2</i> , <b>MYBPC3</b> , <i>MYH6</i> , <b>MYH7</b> , <b>MYL2</b> , <b>MYL3</b> , <i>MYPN</i> , <i>NEXN</i> , <i>PLN</i> , <b>PRKAG2</b> , <i>TCAP</i> , <i>TPM1</i> , <b>TNNC1</b> , <b>TNNT2</b> , <b>TNNI3</b> , <i>VCL</i>
Miocardiopatía arritmogénica	<b>DSC2</b> , <b>DSG2</b> , <b>DSP</b> , <b>FLNC</b> , <i>JUP</i> , <b>PKP2</b> , <i>PLN</i> , <b>TMEM43</b>
Miocardiopatía restrictiva	<b>ACTC1</b> , <b>FLNC</b> , <b>MYH7</b> , <b>TNNI3</b> , <b>TNNT2</b> , <b>TTN</b> , <i>TTR</i>
Miocardiopatía no compactada	<i>DTNA</i> , <i>MIB1</i> , <i>PRDM16</i>
<b>Miocardiopatía metabólica</b>	
Enfermedad de Danon	<i>LAMP2</i>
Enfermedad de Fabry	<b>GLA</b>
Enfermedad de Pompe	<b>GAA</b>
Amiloidosis hereditaria mediada por transtiretina	<b>TTR</b>
<b>Factores de riesgo</b>	
Hemocromatosis hereditaria	<b>HFE</b>
Hipercolesterolemia familiar	<b>APOB</b> , <b>LDLR</b> , <i>LDLRAP1</i> , <b>PCSK9</b>
Enfermedad por almacenamiento de ésteres de colesterol	<i>ABCG5</i> , <i>ABCG8</i> , <i>LIPA</i>
Enfermedad tromboembólica	<i>F2</i> , <i>F5</i> , <i>F9</i>
<b>Otras patologías con afectación cardíaca</b>	
Síndrome de comunicación interauricular con defecto de conducción	<i>NKX2-5</i>
Telangiectasia hemorrágica hereditaria	<b>ACVRL1</b> , <b>ENG</b> , <i>GDF2</i> , <b>SMAD4</b>
Displasia de válvula cardíaca	<i>FLNA</i>
Distrofia muscular Emery-Dreifuss	<i>EMD</i> , <i>FHL1</i>
Enfermedad de la válvula aórtica	<i>NOTCH1</i>

\*Los genes incluidos en este test han sido seleccionados en base a criterios clínicos y científicos a partir de las recomendaciones del American College of Medical Genetics and Genomics (ACMG) y otras sociedades científicas, como la American Heart Association (AHA). En negrita se muestran los genes accionables según la ACMG.

### Más información

☎ 985 088 180 / 613 031 849  
✉ [genetica@dreamgenics.com](mailto:genetica@dreamgenics.com)

Número de Registro Sanitario C.2.5.6./6466.

[www.dreamgenics.com](http://www.dreamgenics.com)

